

L J

**(12) DEMANDE INTERNATIONALE PUBLIÉE EN VERTU DU TRAITÉ DE COOPÉRATION
EN MATIÈRE DE BREVETS (PCT)**

**(19) Organisation Mondiale de la Propriété
Intellectuelle
Bureau international**



**(43) Date de la publication internationale
4 juillet 2002 (04.07.2002)**

PCT

**(10) Numéro de publication internationale
WO 02/051871 A2**

(51) Classification internationale des brevets⁷ :

C07K 16/28

F-44100 Nantes (FR). LAFLAMME, Geneviève [FR/FR];
141, rue d'Allonville, Appt. 9, F-44000 NANTES (FR).
VANHOVE, Bernard [FR/FR]; 72 bis, rue Henri Bar-
busse, F-44400 REZE (FR).

(21) Numéro de la demande internationale :

PCT/FR01/04203

(74) Mandataires : ORES, Béatrice etc.; CABINET ORES, 6,
avenue de Messine, F-75008 PARIS (FR).

(22) Date de dépôt international :

26 décembre 2001 (26.12.2001)

(81) États désignés (national) : JP, US.

(25) Langue de dépôt :

français

(84) États désignés (régional) : brevet européen (AT, BE, CH,
CY, DE, DK, ES, FI, FR, GB, GR, IE, IT, LU, MC, NL, PT,
SE, TR).

(26) Langue de publication :

français

(30) Données relatives à la priorité :

00/17025 26 décembre 2000 (26.12.2000) FR

Publiée :

- sans rapport de recherche internationale, sera republiée
dès réception de ce rapport
- avec une (des) indication(s) relative(s) à du matériel bi-
ologique déposé, fournie(s) selon la règle 13bis, séparé-
ment, et non avec la description

(71) Déposant (pour tous les États désignés sauf US) : IN-
STITUT NATIONAL DE LA SANTE ET DE LA
RECHERCHE MEDICALE (INSERM) [FR/FR]; 101,
rue de Tolbiac, F-75013 PARIS (FR).

*En ce qui concerne les codes à deux lettres et autres abrégia-
tions, se référer aux "Notes explicatives relatives aux codes et
abréviations" figurant au début de chaque numéro ordinaire de
la Gazette du PCT.*

(72) Inventeurs; et

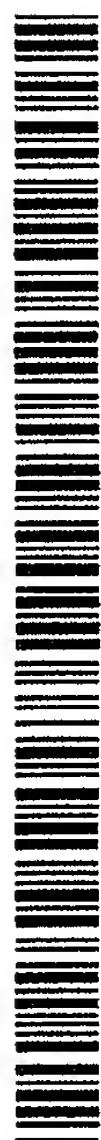
(75) Inventeurs/Déposants (pour US seulement) : SOULIL-
LOU, Jean-Paul [FR/FR]; 32 ter, rue de l'Abbaye,

(54) Title: ANTI-CD28 ANTIBODY

(54) Titre : ANTICORPS ANTI-CD28

(57) Abstract: The invention concerns an antibody directed against the CD28 receptor and capable of blocking CD28/B7 interaction, and proteins derived from said antibody, for use in particular to block CD28-dependent activation of lymphocytes.

(57) Abrégé : Anticorps dirigé contre le récepteur CD28, et capable de bloquer l'interaction CD28/B7, et protéines dérivées de cet anticorps, utilisables notamment pour bloquer l'activation CD28-dépendante des lymphocytes.



WO 02/051871 A2

ANTICORPS ANTI-CD28

L'invention est relative à des anticorps dirigés contre le récepteur lymphocytaire CD28 et à leurs fragments, et à leurs utilisations thérapeutiques, notamment dans le cadre de la régulation de l'activation des cellules T.

Une activation anormale des cellules T intervient dans la pathogenèse de nombreuses maladies autoimmunes, ainsi que dans les phénomènes de rejet de greffes où elle provoque le développement d'une réponse immune dirigée contre le greffon.

L'activation des lymphocytes T nécessite un signal activateur, induit par la reconnaissance par les récepteurs T (TCR) de l'antigène associé avec le complexe majeur d'histocompatibilité (CMH) de classe II et présenté par les cellules présentatrices de l'antigène (CPAg). Cette activation n'entraîne cependant la prolifération des cellules T et la sécrétion de cytokines immunomodulatrices spécifiques (telles que l'interleukine 2, l'interféron gamma ou l'interleukine 4), que si d'autres systèmes de co-stimulation T sont également activés.

L'un des systèmes les plus importants de régulation de l'activation des lymphocytes T est le système moléculaire B7/CD28/CTLA4. Ce système joue par exemple un rôle essentiel dans les mécanismes du rejet de greffe [WOODWARD et al., Transplantation, 66, 14-20, (1998)]. Les molécules B7.1 (CD80) et B7.2 (CD86) portées par les CPAgs peuvent activer le récepteur CD28 ainsi que le récepteur CTLA4 des lymphocytes T. L'activation du CD28 délivre au lymphocyte T un signal positif stimulant la cellule ; en revanche, l'activation du CTLA4 délivre un signal négatif conduisant à une non-réponse (anergie) [FALLARINO et al., J. Exp. Med., 188, 205-210, (1998)].

Les lymphocytes T au repos expriment une quantité importante de CD28, et très peu de CTLA4. Lors d'un premier contact cognitif entre une CPAg et un lymphocyte T, l'interaction CD28/B7 est privilégiée, ce qui active la cellule. Ce n'est que plusieurs heures après l'initiation de l'activation, du fait de l'augmentation de l'expression

membranaire de CTLA4 dont l'affinité pour B7 est 5 à 10 fois supérieure à celle du CD28, que l'interaction B7/CD28 se déplace au profit d'une interaction B7/CTLA4.

Actuellement, pour bloquer l'activation des lymphocytes T, notamment dans le cadre des transplantations d'organes, on utilise principalement la cyclosporine. Malgré l'efficacité de ce médicament, la protection qu'il confère n'est cependant pas absolue. En outre, il agit en bloquant toutes les voies d'activation cellulaires dépendantes du calcium, et possède donc une activité biologique qui n'est pas strictement spécifique de lymphocytes T et entraîne un nombre important d'effets secondaires. Il est donc souhaitable de développer de nouveaux immunosuppresseurs au mode d'action défini et de spécificité plus grande.

Il a été postulé que l'inhibition sélective du signal agoniste délivré à la cellule T par le CD28 en laissant intact le système antagoniste constitué par le couple CTLA4/B7, par l'intermédiaire d'un blocage spécifique de l'interaction CD28/B7 permettrait de prévenir l'activation des lymphocytes T. Un tel blocage spécifique de l'interaction CD28/B7 peut être obtenu à l'aide d'un anticorps dirigé contre CD28.

Des anticorps anti-CD28 capables d'empêcher la liaison de CD28 avec B7 sont connus. Ils présentent toutefois l'inconvénient, lorsqu'ils sont utilisés sous leur forme native divalente, d'entraîner la dimérisation et l'activation de CD28 par leur liaison avec ce récepteur. Cependant, des fragments monovalents issus de ces anticorps sont capables de bloquer sans l'activer le récepteur CD28 [DAMLE et al., J. Immunol., 140, 1753-1761, (1988); NUNES et al., Int. Immunol., 5, 311-315, (1993) ; PAGES et al., J. Biol. Chem., 271, 9403, (1996)].

Il a ainsi été rapporté [PERRIN et al., J. Immunol. 163, 1704-1710, (1999)] que des fragments Fab issus d'un anticorps anti-CD28 pouvaient enrayer les symptômes cliniques de l'encéphalite expérimentale auto-immune induite chez la souris par l'administration de myéline ou le transfert de cellules T d'un animal atteint.

Des fragments monovalents, Fab ou scFv, dérivés d'un anticorps anti-CD28 sont potentiellement utilisables pour prévenir l'activation des lymphocytes T par l'intermédiaire d'un blocage spécifique de l'interaction
5 CD28/B7.

Les fragments Fab résultent de l'action de la papaine sur une molécule d'immunoglobuline, et contiennent chacun une chaîne légère et la première moitié d'une chaîne lourde ; les fragments scFv sont constitués des
10 portions variables des chaînes lourdes et légères d'un anticorps, reliées entre elles par l'intermédiaire d'un lien flexible [CLACKSON et al., Nature, 352, 624-628, (1991)], formant ainsi une protéine simple-chaîne.

Ces fragments monovalents présentent fréquemment
15 une affinité pour l'antigène moins importante que celle des anticorps natifs, ce qui peut limiter leurs possibilités d'utilisation dans des applications diagnostiques ou thérapeutiques.

Les Inventeurs sont parvenus à sélectionner,
20 parmi différents anticorps reconnaissant l'antigène CD28, un anticorps capable de bloquer l'interaction CD28/B7, et dont les fragments monovalents présentent une affinité pour l'antigène suffisante pour être utilisables, *in vitro* ou *in vivo*, pour bloquer le récepteur CD28 sans activation de ce
25 récepteur.

Cet anticorps, dénommé CD28.3, est produit par l'hybridome déposé, selon les termes du traité de Budapest, le 28 novembre 2000 auprès de la CNCM (Collection Nationale de Cultures de Microorganismes, 25 rue du Docteur Roux, 75724
30 PARIS CEDEX 15) sous le numéro I-2582.

La présente invention a pour objet une protéine capable de se lier spécifiquement au récepteur lymphocytaire CD28 et de bloquer l'interaction CD28/B7, caractérisé en ce qu'elle comprend au moins les CDRs de la chaîne lourde et de
35 la chaîne légère de l'immunoglobuline CD28.3.

Les CDRs (régions déterminant la complémentarité) sont les portions des régions variables d'une immunoglobuline

impliquées dans la spécificité de reconnaissance de l'antigène.

Des protéines conformes à l'invention englobent ainsi notamment :

- 5 a) l'anticorps CD28.3 produit par l'hybridome CNCM I-2582 ;
- b) les fragments Fv, Fab, Fab'2 ou scFv de l'anticorps CD28.3 ;
- c) les anticorps chimériques ou humanisés obtenus
10 à partir des régions variables de CD28.3 ;
- d) les fragments des anticorps b) ci-dessus comprenant les CDRs de l'anticorps CD28.3, qu'il s'agisse de fragments monovalents, Fv, Fab, ou scFv, ou de fragments divalents Fab'2 ;
- 15 e) les protéines recombinantes comprenant un fragment b) ou d) et un polypeptide hétérologue.

Il peut s'agir par exemple :

- de dérivés di- ou plurivalents de fragments scFv, tels que les « diabodies » ou « triabodies », résultant
20 de l'association de 2 ou 3 fragments scFv;
- de protéines associant au moins un fragment d'anticorps comprenant les CDRs de l'anticorps CD28.3, avec au moins un fragment d'anticorps comprenant les CDRs d'un anticorps de spécificité différente ; on citera à titre
25 d'exemples, des immunoglobulines bi-spécifiques, des conjugués d'un fragment Fv ou Fab contenant les CDRs de CD28.3 avec un fragment Fv ou Fab d'un anticorps de spécificité différente, des « diabodies bi-spécifiques » résultant de l'association d'un fragment scFv contenant les
30 CDRs de CD28.3 avec un fragment Fv ou Fab d'un anticorps de spécificité différente.
- de protéines associant au moins un fragment d'anticorps comprenant les CDRs de l'anticorps CD28.3, avec une molécule dotée d'activité pharmacologique (par exemple
35 une toxine), ou de propriétés effectrices (par exemple un fragment Fc).

- de protéines associant au moins un fragment d'anticorps comprenant les CDRs de l'anticorps CD28.3, avec

une molécule permettant de prolonger sa demi-vie plasmatique lors de son administration *in vivo* ; on peut par exemple associer ledit fragment d'anticorps avec un polypeptide hydrosoluble de masse moléculaire suffisante pour que la

5 masse moléculaire du polypeptide de fusion ainsi obtenu soit supérieure au seuil de filtration rénale. Dans ce cas, on choisira un polypeptide qui contrairement aux fragments Fc, ne puisse pas s'associer en dimères, et qui ne possède pas d'activité effectrice propre susceptible d'entraîner des

10 effets secondaires inopportuns. Des polypeptides possédant ces propriétés peuvent avantageusement être obtenus à partir de protéines sériques hydrosolubles, à savoir notamment l'albumine sérique, l'haptoglobuline, l'ITIH2 (inhibiteur inter-alpha (globuline), polypeptide H2), la transferrine, le

15 CBG (protéine liant les corticostéroïdes), l' α 1 antitrypsine, l'ITIH4 (inhibiteur inter-alpha (globuline), polypeptide H4), l'AACT (alpha-1-antichymotrypsine), le TBG (globuline liant la thyroxine), le fibrinogène et la prothrombine, pour préparer des protéines de fusion avec des

20 fragments scFv dérivés d'anticorps anti-CD28. On peut également conjuguer une protéine conforme à l'invention avec un polyol, par exemple le polyéthylène glycol, comme décrit par exemple dans le Brevet US 4,179,337.

Un exemple d'une protéine conforme à l'invention

25 est illustré par la Figure 1, qui représente un fragment scFv dérivé de l'anticorps CD28.3. Les séquences des CDRs de l'anticorps CD28.3 sont encadrées dans la séquence représentée sur la Figure 1.

La séquence nucléotidique codant pour ce fragment

30 scFv est représentée dans la liste de séquences en annexe sous le numéro SEQ ID NO: 1 et la séquence peptidique correspondante est représentée sous le numéro SEQ ID NO: 2.

Des fragments Fv, Fab, ou Fab'2 conformes à l'invention peuvent être obtenus par les techniques

35 classiques de digestion enzymatique, à partir de l'anticorps CD28.3.

Un plasmide contenant un polynucléotide codant pour un fragment scFv de CD 28.3, fusionné à un

polynucléotide codant pour les acides aminés 53 à 425 de l' α 1 antitrypsine a été déposé, selon les termes du traité de Budapest, le 11 décembre 2001 auprès de la CNCM (Collection Nationale de Cultures de Microorganismes, 25 rue du Docteur Roux, 75724 PARIS CEDEX 15), sous le numéro I-2762.

Des protéines conformes à l'invention telles que des anticorps chimériques ou recombinants, des fragments scFv et leurs dérivés, etc. peuvent être obtenues, par les techniques classiques du génie génétique, telles que celles décrites par SAMBROOK et al., [MOLECULAR CLONING, A LABORATORY MANUAL, 2nd Ed., Cold Spring Harbor Laboratory Press, Cold Spring Harbor, N.Y., (1989)].

Des polynucléotides codant les régions variables de l'anticorps anti-CD28.3 peuvent par exemple être obtenus par clonage desdites régions variables à partir d'une banque d'ADNc de l'hybridome CD28.3, ou à partir du plasmide CNCM I-2762. Ils peuvent également être préparés totalement ou partiellement, par synthèse d'acides nucléiques, à partir des séquences nucléotidiques desdites régions variables. On peut par exemple synthétiser des polynucléotides codant les CDRs de CD28.3, et les incorporer dans les régions de charpente (FR pour « framework regions ») d'un autre anticorps, notamment d'un anticorps d'origine humaine, par les techniques, connues en elles-mêmes, de greffe de CDRs, telles que celles décrites par ROUTLEDGE et al., ["Reshaping antibodies for therapy", in PROTEIN ENGINEERING OF ANTIBODY MOLECULES FOR PROPHYLATIC AND THERAPEUTIC APPLICATIONS IN MAN, 13-44, Academic Titles, Nottingham, England (1993)] ou par ROGUSKA et al., Protein Engineering, 9(10), 895-904, (1996)].

La présente invention a également pour objet toute molécule d'acide nucléique codant une protéine conforme à l'invention comprenant les CDRs de l'anticorps CD28.3, ainsi que tout vecteur recombinant, notamment tout vecteur d'expression, comprenant ladite molécule d'acide nucléique.

La présente invention a également pour objet toute cellule exprimant une protéine conforme à l'invention

comprenant les CDRs de l'anticorps CD28.3. Ceci englobe notamment l'hybridome CNCM I-2582, ainsi que les cellules-hôtes transformées par une molécule d'acide nucléique conforme à l'invention.

5 Des molécules d'acide nucléique conformes à l'invention peuvent avantageusement comprendre, outre une séquence codant une protéine conforme à l'invention, une séquence codant un peptide signal permettant la sécrétion de ladite protéine ; elles peuvent aussi comprendre une ou
10 plusieurs séquence(s) codant un ou plusieurs peptide(s) marqueur(s) permettant la détection et/ou facilitant la purification de ladite protéine.

Des vecteurs d'expression conformes à l'invention comprennent au moins une séquence d'acide nucléique codant
15 une protéine conforme à l'invention, associée à des éléments de contrôle de la transcription et de la traduction actifs dans la cellule-hôte choisie. Des vecteurs utilisables pour la construction de vecteurs d'expression conformes à l'invention sont connus en eux-mêmes, et seront choisis
20 notamment en fonction de la cellule-hôte que l'on souhaite utiliser.

Des cellules-hôtes utilisables dans le cadre de la présente invention peuvent être des cellules procaryotes ou eucaryotes. Parmi les cellules eucaryotes utilisables, on
25 citera en particulier des cellules végétales, des cellules de levure, telles que *Saccharomyces*, des cellules d'insecte, telles que les cellules de *Drosophila*, ou de *Spodoptera* et des cellules de mammifères telles que les cellules HeLa, CHO, 3T3, C127, BHK, COS, etc...

30 La construction de vecteurs d'expression conformes à l'invention, et la transformation des cellules-hôtes peut être effectuée par les techniques classiques de biologie moléculaire.

L'invention a également pour objet un procédé de
35 production d'une protéine conforme à l'invention, caractérisé en ce qu'il comprend la mise en culture d'au moins une cellule conforme à l'invention, et la récupération de ladite protéine à partir de ladite culture.

Si la protéine est sécrétée, elle peut être récupérée directement à partir du milieu de culture ; sinon on procédera préalablement à la lyse des cellules.

La protéine peut ensuite être purifiée à partir
5 du milieu de culture ou du lysat cellulaire, par des procédures classiques, connues en elles-mêmes de l'homme de l'art, par exemple par précipitation fractionnée, notamment précipitation au sulfate d'ammonium, électrophorèse, filtration sur gel, chromatographie d'affinité, etc.

10 Les protéines conformes à l'invention peuvent être utilisées *in vitro* pour étudier la réponse proliférative ou la différenciation de lymphocytes T répondant à une stimulation antigénique, virale, allogénique ou xénogénique. Elle peut être également utilisée *in vitro* pour induire la
15 différenciation de lymphocytes T prélevés chez un patient, par exemple l'induction d'une tolérance vis-à-vis d'un antigène ou d'un alloantigène, destinés à être par la suite ré-administrés *in vivo*.

Elles peuvent également être utilisées pour
20 l'obtention de médicaments, ou de réactifs de diagnostics.

Des protéines conformes à l'invention, divalentes, c'est à dire possédant 2 sites de liaison au récepteur CD28, et donc capables d'induire la dimérisation de ce récepteur, sont utilisables dans tous les cas où l'on
25 souhaite activer ce récepteur CD28, c'est-à-dire augmenter la réponse d'un lymphocyte T vis à vis d'un antigène.

Des protéines conformes à l'invention, monovalentes, c'est à dire possédant un seul site de liaison au récepteur CD28, sont utilisables dans tous les cas où l'on
30 souhaite bloquer sélectivement ce récepteur sans l'activer, afin d'induire une immunosuppression.

Une protéine conforme à l'invention, comprenant un fragment monovalent dérivé d'un anticorps anti-CD28 peut notamment être utilisée pour l'obtention d'un médicament
35 immunosuppresseur, bloquant sélectivement les phénomènes d'activation des cellules T impliquant le récepteur CD28, et ne présentant pas les inconvénients des immunosuppresseurs connus, tels que la cyclosporine.

L'immunosuppression T par blocage sélectif du CD28 par une protéine conforme à l'invention possède des applications dans toutes les pathologies dépendantes des lymphocytes T.

5 Il s'agit essentiellement du rejet de greffe, de la maladie du greffon contre l'hôte, des maladies auto-immunes à médiation lymphocytaire T, telles que le diabète de type I, ou la sclérose en plaques, et de l'hypersensibilité de type IV, qui intervient dans les phénomènes allergiques
10 ainsi que dans la pathogenèse de maladies inflammatoires chroniques suivant une infection par un agent pathogène (notamment lèpre, tuberculose, leishmaniose, listériose, etc.).

La présente invention sera mieux comprise à
15 l'aide du complément de description qui va suivre, qui se réfère à des exemples non-limitatifs de préparation et d'utilisation d'anticorps conformes à l'invention.

EXEMPLE 1 : CHOIX D'UN ANTICORPS PRODUISANT DES FRAGMENTS MONOVALENTS PROPRIETES DE FRAGMENTS MONOVALENTS Fab ISSUS DE
20 **CD28.3.**

Certaines des propriétés de plusieurs anticorps anti-CD28 (CD28.1, CD28.2, CD28.3, CD28.4, CD28.5 et CD28.6) sont décrites dans la publication de NUNES et al. [Int. Immunol., 5, 311, (1993)]. Ces différents anticorps, qui ne
25 sont pas accessibles au public, ont été fournis par le laboratoire de Daniel OLIVE (INSERM). Les propriétés de liaison à l'antigène des fragments monovalents Fab de ces différents anticorps ont été comparées.

5 mg de fragments Fab de chacun de ces anticorps
30 ont été préparés par digestion à la papaine (rapport molaire papaine/anticorps = 1/100) pendant 24 heures à 37°C, suivie d'inactivation de l'enzyme au iodoacétamide 0,03 M et de dialyse contre du PBS pour éliminer l'iodoacétamide.

1) Liaison des fragments Fab à des cellules T Jurkat CD28+ :

35 100 000 cellules Jurkat CD28+ en 100 µl sont incubées en PBS-BSA 1%-NaN₃ 0,1% à 4°C pendant 30 minutes avec des concentrations croissantes d'anticorps anti-CD28 ou

de leurs fragments Fab. Après lavage, les cellules sont incubées de manière similaire avec un anticorps de chèvre anti-IgG de souris conjugué à la FITC, lavées, et analysées en cytofluorométrie.

5 Les résultats sont illustrés par la Figure 2 :

Légende de la Figure 2 :

Axe des abscisses : concentration en anticorps ou fragments Fab

Axe des ordonnées : Intensité moyenne de fluorescence (IMF)

-◇- : F1 = Fragments Fab de l'anticorps CD28.1

10 -■- : F2 = Fragments Fab de l'anticorps CD28.2

-△- : F3 = Fragments Fab de l'anticorps CD28.3

-X- : F5 = Fragments Fab de l'anticorps CD28.5

-O- : F6 = Fragments Fab de l'anticorps CD28.6

..●.. : W1 = anticorps entier CD28.1

15 .._.. : W2 = anticorps entiers CD28.2

-⊕- : W3 = anticorps entiers CD28.3

-_- : W5 = anticorps entiers CD28.5

-*- : W6 = anticorps entiers CD28.6

-▲- : Mara-1 = contrôle négatif (IgG1 de souris).

20 Ces résultats montrent que parmi les fragments Fab, seuls ceux issus de CD28.3 sont capables de se lier de manière significative aux cellules Jurkat CD28+ à des concentrations inférieures à 10 µg/ml

2) Effet des fragments Fab sur l'adhésion des cellules T
25 **Jurkat CD28+ à des cellules L murines transfectées exprimant la molécule B7-1. :**

4 x 10⁵ cellules humaines T (Jurkatt, CD28-positives) marquées au ⁵¹Cr sont incubées pendant 2 heures dans une plaque de microtitration dans laquelle 10⁵ cellules
30 adhérentes LTK⁻ ou LB7⁺ (fibroblastes murins transfectés avec B7.1 humain [PAGES et al., J. Biol. Chem., 271, 9403, (1996)] ont étéensemencées 24 heures auparavant. Ces incubations sont réalisées en présence des fragments Fab issus des anticorps CD28.1 à CD28.6, ou de l'anticorps CD28.3, dilués à
35 différentes dilutions dans du tampon PBS sans Ca²⁺ ni Mg²⁺. Les cellules adhérentes après lavages sont quantifiées par

lecture de la radioactivité résiduelle au compteur beta (PACKARD TOPCOUNT).

Les résultats sont illustrés par la Figure 3 :

Légende de la Figure 3 :

- 5 Axe des abscisses : pourcentage de cellules adhérentes
Axe des ordonnées : concentration en anticorps
- ◆— : F1 = Fragments Fab de l'anticorps CD28.1
—■— : F2 = Fragments Fab de l'anticorps CD28.2
—▲— : F3 = Fragments Fab de l'anticorps CD28.3
10 —X— : F5 = Fragments Fab de l'anticorps CD28.5
—*— : F6 = Fragments Fab de l'anticorps CD28.6
..●.. : Anticorps entier CD28.3
○ : Pas d'anticorps.

15 Ces résultats montrent que les fragments Fab
issus de CD28.3 sont les plus efficaces pour inhiber les
interactions CD28/B7. Ils inhibent l'adhésion à 90% à une
concentration de 3 µg/ml, et avec une efficacité comparable à
celle de l'anticorps CD28.3 entier, alors qu'à cette
concentration, les fragments Fab issus des autres anticorps
20 n'inhibent pas l'adhésion à plus de 50%.

**3) Effet des fragments Fab sur la prolifération en réaction
lymphocytaire mixte :**

10⁵ cellules mononucléées du sang périphérique
sont mélangées avec 10⁵ cellules mononucléées allogéniques
25 irradiées à 35 Gy, en présence de concentrations variables
des anticorps CD28.1 à CD28.6 ou des fragments Fab issus de
ces anticorps. La réponse proliférative dans ces cultures est
évaluée après 3 jours, par incorporation de (³H) thymidine
pendant une durée de 16 heures.

30 Les résultats sont illustrés par la Figure 4 :

Légende de la Figure 4 :

Axe des abscisses : concentration en anticorps
Axe des ordonnées : réponse proliférative (cpm)
Niveau basal de prolifération = 6500 cpm.

- 35 —◆— : 28.1 = anticorps CD28.1
—■— : 28.2 = anticorps CD28.2
—▲— : 28.3 = anticorps CD28.3

- X- : 28.5 = anticorps CD28.5
- ..*.. : 28.6 = anticorps CD28.6
- : Fab.1 = fragments Fab de l'anticorps CD28.1
- ..+.. : Fab.2 = fragments Fab de l'anticorps CD28.2
- 5 -_- : Fab.3 = fragments Fab de l'anticorps CD28.3
- +- : Fab.5 = fragment Fab de l'anticorps CD28.5
- ◇- : Fab.6 = fragment Fab de l'anticorps CD28.6.

Ces résultats montrent que les fragments Fab issus de CD28.3 ou de CD28.6 sont les plus efficaces pour
 10 inhiber la prolifération des cellules mononucléées. Les anticorps entiers CD28.1 à CD28.6, testés en parallèle, n'ont aucun effet inhibiteur ou bien stimulent la prolifération de par leur action stimulatrice sur le CD28.

15 **Effet des fragments Fab issus de CD28.3 sur la prolifération induite par un super-antigène.**

Pour cette expérimentation des cellules T CD4+ répondeuses ont été mélangées avec des PBMC isogéniques irradiées, en présence de 50 ng/ml de toxine-1 du syndrome de
 20 choc toxique (TSST-1) qui stimule spécifiquement les cellules T Vβ2+, soit en l'absence d'anticorps, soit en présence d'anti-B7-1 (1 µg/ml), d'anti-B7-2 (0,5 µg/ml), de CTLA4Ig (10 µg/ml), ou de fragments Fab issus de CD28.3 (10 µg/ml).

La réponse proliférative dans ces cultures est évaluée après 1, 3, 6, et 8 jours, par incorporation de (³H)
 25 thymidine pendant une durée de 16 heures.

Les résultats sont illustrés par la Figure 5 :

Légende de la Figure 5 :

Axe des abscisses : temps de culture

Axe des ordonnées : indice de prolifération = IP

30
$$IP = \frac{\text{cpm réaction mixte lymphocytaire} - \text{cpm cellules stimulatrices irradiées seules}}{\text{cpm cellules répondeuses non stimulées}}$$

- ◆- : Fab anti-CD28.3
- X- : anti B7-2
- 35 -■- : CTLA-4 Ig
- ..*.. : anti-B7-1+2
- ▲- : anti-B7-1
- : pas d'anticorps

TSST-1 induit une prolifération importante des cellules T CD4+. En présence d'anti-B7, de CTLA4Ig, ou des fragments Fab de CD28.3, on observe une inhibition de cette prolifération de 70% après 6 jours.

5 **Effet des fragments Fab issus de CD28.3 sur la production de cytokines.**

Afin de déterminer si les fragments Fab issus de CD28.3 pouvaient induire une déviation immune *in vitro*, une réaction lymphocytaire mixte (PBMC issues d'un donneur A/
10 PBMC irradiées issues d'un donneur B) a été effectuée, en présence de fragments Fab issus de CD28.3. 10⁵ cellules mononucléées du sang périphérique d'un donneur sont mélangées avec 10⁵ cellules mononucléées allogéniques irradiées à 35 Gy, et cultivées pendant 5 jours en présence ou en
15 l'absence de 10 µg/ml de Fab issus de l'anticorps CD28.3.

L'ARN des cellules répondeuses a été extrait, et la quantité d'ARNm de cytokines a été évaluée par mesure quantitative du nombre de transcrits, rapportée à la quantité d'HPRT, à l'aide d'un TaqMan (Perkin Helmer).

20 On observe en présence de fragments Fab issus de CD28.3., une réduction de la production d'IFN γ et d'IL2, et une augmentation de la production d'IL10. Cette déviation de la réponse immune suggère une orientation vers une réponse de type Th2. Ce résultat est inattendu dans la mesure où il a
25 été rapporté que l'engagement de CTLA4 (qui est supposé intervenir lors du blocage de CD28 seul) conduit à une réponse de type Th1.

Traitement in vitro de l'anticorps CD28.3 et des fragments Fab issus de celui-ci par les cellules T humaines.

30 Une éventuelle internalisation des fragments Fab de l'anticorps CD28.3 dans les cellules T humaines a été recherchée, en comparaison avec l'anticorps entier CD28.3.

Des cellules T Jurkatt ont été incubées en milieu de culture avec 100 µg/ml d'anticorps CD28.3, à 37°C ou à
35 0°C. A différents temps, les cellules ont été lavées avec du tampon PBS froid contenant 0,1% de sérum-albumine bovine, et du NaN₃, afin de bloquer la motilité membranaire. Les

anticorps liés ont été révélés avec un anticorps secondaire de chèvre anti-souris, marqué à la fluorescéine. Les cellules ont été montées dans du MOVIOOL et analysées par microscopie confocale.

5 On observe ainsi que les anticorps CD28.3 entiers se liant aux cellules T Jurkatt sont capturés et disparaissent de la surface cellulaire à 37°C, mais pas à 0°C. Au contraire, les fragments Fab restent fixés en surface de la cellule. Ceci indique que la fixation des anticorps
10 divalents CD28.3 entraîne la dimérisation de CD28, ce qui conduit à leur entrée dans la cellule, alors que les fragments monovalents Fab, qui n'induisent pas cette dimérisation, demeurent en surface.

15 **EXEMPLE 2 : PROPRIETES D'UN FRAGMENT scFv DERIVE DE L'ANTICORPS CD28.3.**

La Figure 1 représente la séquence nucléotidique et la séquence polypeptidique déduite d'un fragment scFv dérivé de l'anticorps CD28.3. Les portions de cette séquence correspondant au fragment variable de la chaîne lourde et de
20 la chaîne légère sont représentés en lettres capitales. La séquence correspondant au fragment variable de la chaîne légère est en outre souligné. La séquence du lieu est représentée en lettres minuscules. Les séquences des CDRs de la chaîne lourde et de la chaîne légère sont encadrées.

25 La séquence nucléotidique codant ce fragment scFv est également représentée dans la liste de séquences en annexe, sous le numéro SEQ ID NO:°1.

L'ADNc codant ce fragment scFv a été inséré dans le vecteur pIG6 (Biochemisches Institut, Universität Zurich).
30 Ce vecteur comprend notamment un marqueur de résistance à l'ampicilline, et une cassette d'expression qui comprend un promoteur lac inductible, sous contrôle duquel sont placés : une séquence codant un peptide signal ompA, une séquence codant un peptide marqueur de séquence (code 1 lettre) DYKD,
35 une séquence codant un peptide marqueur c-myc, et une séquence codant un marqueur polyhistidine-5.

L'ADNc codant le fragment scFv décrit ci-dessus a été introduit entre les sites EcoRI et EcoRV de pIG6, en aval de la séquence codant le peptide DYKD et en amont de la séquence codant le marqueur c-myc.

5 La construction obtenue est dénommée pIg6-28.3.

Production en cellules procaryotes

Le vecteur pIg6-28.3 a été utilisé pour transformer des cellules *E.coli* JM83. Les cellules sont cultivées à 25°C, jusqu'à une DO₅₅₀ de 0,5. Après induction
10 par l'IPTG, le fragment scFv est produit sous forme soluble dans le périplasma. Il apparaît après électrophorèse et transfert de Western, sous forme d'une bande à environ 30 kDa.

Il est purifié à partir des extraits
15 périplasmiques des bactéries, obtenus après choc osmotique en 50 mM Tris-Cl, et ultracentrifugation du matériel insoluble, par chromatographie sur matrice de NI-NTA et échange d'ions sur DEAE-sépharose.

La liaison des fragments scFv présents dans
20 l'éluat de la colonne de NiNTA à des cellules Jurkat CD28+ est comparable à celle obtenue avec des fragments Fab obtenus à partir de l'anticorps CD28.3 par digestion à la papaïne.

Production en cellules eucaryotes

Le vecteur pSec-28.3 a été utilisé pour
25 transfecter des cellules Cos. Les cellules sont cultivées à 37°C pendant 3 jours. Le fragment scFv est produit sous forme soluble dans le surnageant. Ce surnageant inhibite la réaction mixte lymphocytaire : 10⁵ cellules mononucléées du sang périphérique d'un donneur sain sont mélangées avec 10⁵
30 cellules mononucléées du sang périphérique d'un autre donneur sain allogénique. La réponse proliférative dans ces cultures est évaluée après 5 jours par incorporation de (³H)Thymidine pendant une durée de 16 heures. On observe une inhibition importante de l'incorporation dépendant de la dilution du surnageant utilisée. Un surnageant contrôle ne présente pas
35 d'activité inhibitrice de la prolifération.

EXEMPLE 3 : OBTENTION D'UNE PROTEINE DE FUSION COMPRENANT UN FRAGMENT scFv DE CD28.3.

La séquence nucléotidique codant le fragment scFv décrit à l'Exemple 2 a été liée à l'extrémité 5' d'une portion de l'ADNc de l' α 1-antitrypsine humaine (numéro d'accès GENBANK K01396) correspondant aux acides aminés 53 à 425, par l'intermédiaire d'un peptide charnière, de séquence VAAPS. La séquence résultante est représentée dans la liste de séquences en annexe sous le numéro SEQ ID NO: 3, et le polypeptide correspondant sous le numéro SEQ ID NO: 4.

EXEMPLE 4 : CONSTRUCTION DE VECTEURS D'EXPRESSION COMPRENANT LA SEQUENCE CODANT POUR L' α -1 ANTITRYPSINE ET PERMETTANT L'INTRODUCTION D'UNE SEQUENCE CODANT UN FRAGMENT scFv

Vecteur d'expression procaryote :

Le vecteur pIG6 a été utilisé (Biochemisches Institut, Universität Zurich). Ce vecteur comprend notamment un marqueur de résistance à la tétracycline, et une cassette d'expression qui comprend un promoteur lac inductible, sous contrôle duquel sont placés : une séquence codant un peptide signal ompA, une séquence codant un peptide marqueur de séquence (code 1 lettre) DYKD, une séquence codant un peptide marqueur c-myc, et une séquence codant un marqueur polyhistidine-5.

L'ADNc codant un fragment d' α 1-antitrypsine humaine correspondant aux acides aminés 53 à 425, a été introduit entre les sites EcoRI et EcoRV de pIG6, en aval de la séquence codant le peptide DYKD et en amont de la séquence codant le marqueur c-myc.

La Figure 1 schématise la construction obtenue, dénommée pIg6-Haat.

Vecteur d'expression eucaryote :

Le vecteur pSECTagB (Invitrogen, De Schelp, Pays Bas) a été utilisé. Ce vecteur comprend notamment un marqueur de résistance à l'ampicilline, un marqueur de résistance à la zéocine, et une cassette d'expression qui comprend un promoteur CMV, sous contrôle duquel sont placés : une

séquence codant un peptide signal de la chaîne légère IgG Kappa, une séquence codant un peptide marqueur c-myc, et une séquence codant un marqueur polyhistidine-6.

L'ADNc codant un fragment d' α 1-antitrypsine humaine correspondant aux acides aminés 53 à 425, a été introduit entre les sites BamHI et EcoRI du vecteur PSEC B Tag, en amont de la séquence codant le marqueur c-myc.

La Figure 2 schématise la construction obtenue, dénommée pSecHaat.

10 EXEMPLE 5 : CONSTRUCTION DE VECTEURS D'EXPRESSION INTEGRANT LA SEQUENCE CODANT LA PROTEINE DE FUSION scFv CD28.3/ α 1-ANTITRYPSINE

Vecteur d'expression procaryote :

L'ADNc codant la protéine de fusion ScFv CD28.3/ α 1-antitrypsine décrite à l'exemple 3 ci-dessus a été introduit entre les sites EcoRI et XhoI de pIG6, en aval de la séquence codant le peptide DYKD et en amont de la séquence codant le marqueur c-myc.

La Figure 3 schématise la construction obtenue, dénommée pIg6-28.3Haat.

Vecteur d'expression eucaryote :

L'ADNc codant la protéine de fusion ScFv CD28.3/ α 1-antitrypsine décrite à l'exemple 3 ci-dessus a été introduit entre les sites BamHI et XhoI du vecteur PSEC B Tag, en amont de la séquence codant le marqueur c-myc.

La Figure 4 schématise la construction obtenue, dénommée pSec-28.3Haat.

Ce vecteur, hébergé dans *E.coli* DH5 α , a été déposé le 11 décembre 2001 auprès de la CNCM, sous le numéro I-2762.

EXEMPLE 6 : EXPRESSION ET PURIFICATION DES PROTEINES DE FUSION

En cellules procaryotes :

Le vecteur pIg6-28.3Haat a été utilisé pour transformer des cellules *E.coli* JM83. Les cellules sont cultivées à 25°C, jusqu'à une DO₅₅₀ de 0,5. Après induction

par l'IPTG, la protéine est produite sous forme soluble dans le périplasme. Elle apparaît après électrophorèse et transfert de Western, sous forme d'une bande à environ 74 kDa.

5 Elle peut être purifiée à partir des extraits périplasmiques en utilisant une matrice de chromatographie d'affinité NI-NTA, et/ou une matrice de chromatographie d'affinité anti-c-myc. Elle peut également être purifiée à partir d'une colonne d'affinité anti- α 1-antitrypsine.

10 **En cellules eucaryotes :**

Le vecteur pSec-28.3Haat a été utilisé pour transfecter des cellules CHO par lipofection. Les cellules sont cultivées en présence de 200 μ g/ml de zéocine en milieu MEM contenant 10% de sérum de veau foetal.

15 La protéine est sécrétée dans le milieu de culture.

Après séparation par électrophorèse, transfert de Western, et révélation par un anticorps anti-c-myc elle apparaît sous forme d'une bande à environ 80 kDa.

20 **EXEMPLE 7 : TESTS D'ACTIVITE D'UNE PROTEINE DE FUSION scFv / α 1-ANTITRYPSINE**

L'activité anti-CD28 de la protéine de fusion scFv CD28.3/ α 1-antitrypsine obtenue à l'exemple 6 ci-dessus est évaluée par sa liaison à la molécule CD28, ou à des
25 cellules exprimant CD28 sur leur membrane, et son absence de liaison à des cellules qui n'expriment pas CD28.

L'activité immunosuppressive de la protéine de fusion scFv CD28.3/ α 1-antitrypsine obtenue à l'exemple 6 ci-dessus est évaluée par l'inhibition de l'adhésion à B7, et
30 l'inhibition de l'activation induite du lymphocyte T.

Ces activités anti-CD28 et immunosuppressive ont été mesurées par les tests suivants :

Activité anti CD28

Mesure au biosenseur des paramètres de liaison à CD28:

35 Du CD28 humain recombinant a été immobilisé sur le détecteur du biosenseur (BIAcore). Une protéine de fusion

scFv CD28.3/ α 1-antitrypsine obtenue comme décrit à l'exemple 6 ci-dessus a été mise en contact avec le détecteur. Les paramètres de liaison sont : K_A (1/M) 2.86×10^9 ; K_D (M) : 3.49×10^{-10} . En comparaison, ces paramètres mesurés pour le fragment Fab de l'anticorps CD28.3 sont : K_A (1/M) : 9.69×10^8 ; K_D (M) : 1.03×10^{-9} . L'affinité pour CD28 du fragment Fab de l'anticorps CD28.3 et de la protéine de fusion sont donc comparables.

Test de reconnaissance spécifique de CD28 en cytofluorométrie :

10 10^5 cellules Jurkat (CD28+) et U937 (CD28-) sont incubées en PBS-BSA 1%-NaN₃ 0,1% à 4°C pendant 1 heure avec des concentrations croissantes de la protéine de fusion scFv CD28.3/ α 1-antitrypsine. Après lavage, les cellules sont incubées avec un anticorps de lapin anti- α 1-antitrypsine, puis avec un anticorps de chèvre anti-lapin conjugué à la FITC, lavées, et analysées en cytofluorométrie. On observe une liaison dépendante de la dose sur les cellules Jurkat (CD28+) et pas de liaison sur les cellules U937 (CD28-). Ceci montre la spécificité de la protéine de fusion pour la molécule CD28 et son absence de réactivité envers d'autres molécules exprimées par des cellules hématopoïétiques humaines.

Activité immunosuppressive

Test d'adhésion CD28/B7-dépendant :

25 4×10^5 cellules humaines T (Jurkatt, CD28-positives) marquées au ^{51}Cr sont incubées pendant 2 heures dans une plaque de microtitration dans laquelle 10^5 cellules adhérentes LTK⁻ ou LB7⁺ (fibroblastes murins transfectés avec B7.1 humain [PAGES et al., J. Biol. Chem., 271, 9403 (1996)]) ont étéensemencées 24 heures auparavant. Ces incubations sont réalisées en absence ou en présence de la protéine de fusion scFv CD28.3/ α 1-antitrypsine, diluée à différentes concentrations dans du tampon PBS sans Ca^{2+} ni Mg^{2+} . Les cellules adhérentes après lavages sont quantifiées par lecture de la radioactivité résiduelle au compteur beta (PACKARD TOPCOUNT). On observe une inhibition de l'adhésion en présence de la protéine de fusion scFv CD28.3/ α 1-

antitrypsine, inhibition directement dépendante de la dose de protéine de fusion utilisée.

Inhibition de l'activation :

5 x 10⁴ cellules T (polyclonales humaines, 5 déplétées en cellules CD11b) sont stimulées avec 1 x 10⁴ cellules d'hybridome OKT3 (anti-CD3) irradiées, ou avec des cellules B CD28⁻ allogéniques (déplétées en cellules CD28⁺) en absence ou en présence de quantités variables de la protéine de fusion scFv CD28.3/ α 1-antitrypsine. La réponse 10 proliférative dans ces cultures est évaluée après 3 jours lorsque la stimulation est effectuée par des anti-CD3, ou après 7 jours lorsque la stimulation est effectuée par des cellules allogéniques, par incorporation de (³H)Thymidine pendant une durée de 16 heures. On observe une inhibition 15 importante de l'incorporation en présence de la protéine de fusion scFv CD28.3/ α 1-antitrypsine, inhibition directement dépendante de la dose de protéine de fusion utilisée.

Inhibition de la réaction mixte lymphocytaire :

10⁵ cellules mononucléées du sang périphérique 20 d'un donneur sain sont mélangées avec 10⁵ cellules mononucléées du sang périphérique de un autre donneur sain allogénique. La réponse proliférative dans ces cultures est évaluée après 5 jours par incorporation de (³H) Thymidine pendant une durée de 16 heures. On observe une inhibition 25 importante de l'incorporation en présence de la protéine de fusion scFv CD28.3/ α 1-antitrypsine, inhibition directement dépendante de la dose de protéine de fusion utilisée.

REVENDICATIONS

- 1) Protéine capable de se lier spécifiquement au récepteur lymphocytaire CD28 et de bloquer l'interaction CD28/B7, caractérisée en ce qu'elle comprend au moins les CDRs de la chaîne lourde et de la chaîne légère de l'immunoglobuline CD28.3, produite par l'hybridome CNCM I-2582.
- 2) Protéine selon la revendication 1, choisie parmi :
- a) l'anticorps CD28.3 produit par l'hybridome CNCM I-2582 ;
 - b) les fragments Fv, Fab, Fab'2 ou scFv de l'anticorps CD28.3 ;
 - c) les anticorps chimériques ou humanisés obtenus à partir des régions variables de CD28.3 ;
 - d) les fragments Fv, Fab, Fab'2 ou scFv, d'un anticorps b) ;
 - e) les protéines recombinantes comprenant un fragment b) ou d) et un polypeptide hétérologue.
- 3) Molécule d'acide nucléique codant une protéine selon une quelconque des revendications 1 ou 2.
- 4) Vecteur d'expression, comprenant une molécule d'acide nucléique selon la revendication 3.
- 5) Vecteur d'expression selon la revendication 4, caractérisé en ce qu'il s'agit du plasmide CNCM I-2762.
- 6) Cellule exprimant une protéine selon une quelconque des revendications 1 ou 2.
- 7) Cellule selon la revendication 6, caractérisée en ce qu'il s'agit de l'hybridome CNCM I-2582.
- 8) Cellule selon la revendication 6, caractérisée en ce qu'il s'agit d'une cellule transformée par une molécule d'acide nucléique selon la revendication 3.
- 9) Procédé de préparation d'une protéine selon une quelconque des revendications 1 ou 2, caractérisé en ce qu'il comprend la mise en culture d'au moins une cellule selon une quelconque des revendications 6 à 8, et la récupération de ladite protéine à partir de ladite culture.

10) Utilisation d'une protéine selon une quelconque des revendications 1 ou 2, pour l'obtention d'un médicament.

5 11) Utilisation selon la revendication 10, caractérisée en ce que ladite protéine possède un seul site de liaison au récepteur CD28, et en ce que ledit médicament est un immunosuppresseur, bloquant sélectivement l'activation des cellules T par l'intermédiaire du récepteur CD-28.

10 12) Utilisation selon la revendication 11, caractérisée en ce que ledit médicament est destiné au traitement d'une pathologie choisie parmi le rejet de greffe, la maladie du greffon contre l'hôte, les maladies auto-immunes à médiation lymphocytaire T, les phénomènes allergiques, les maladies inflammatoires chroniques.

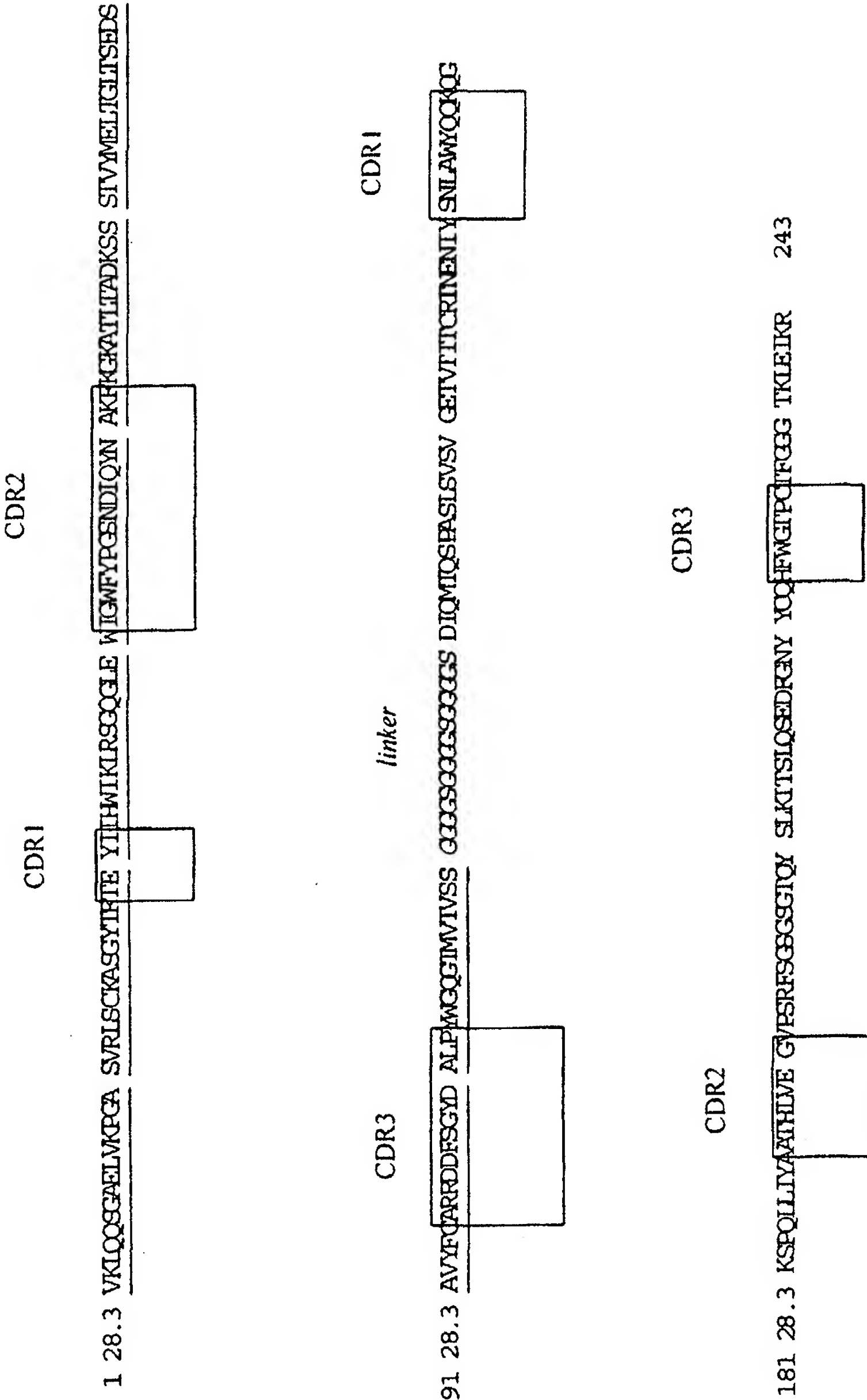


Figure 1

2/5

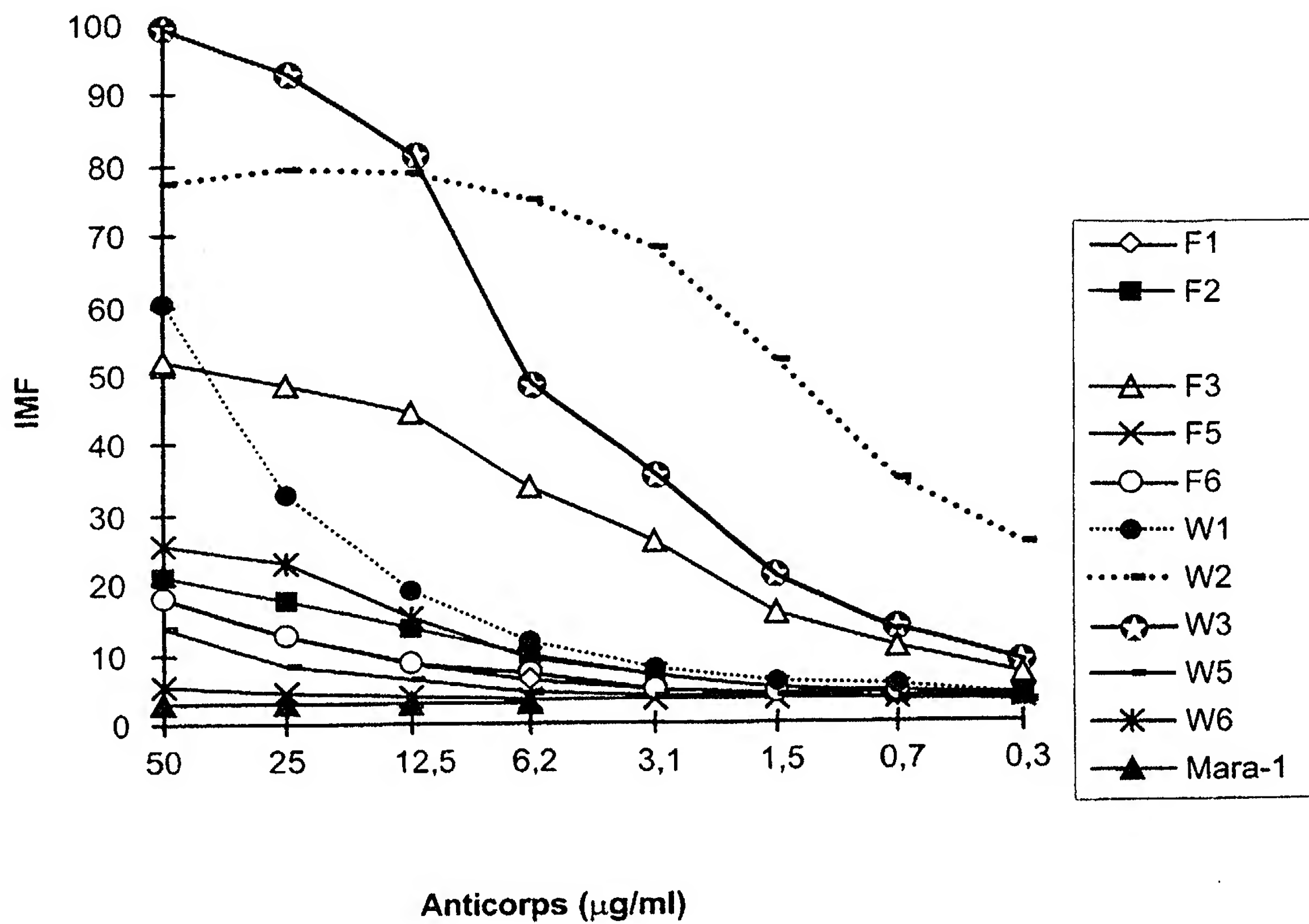


Figure 2

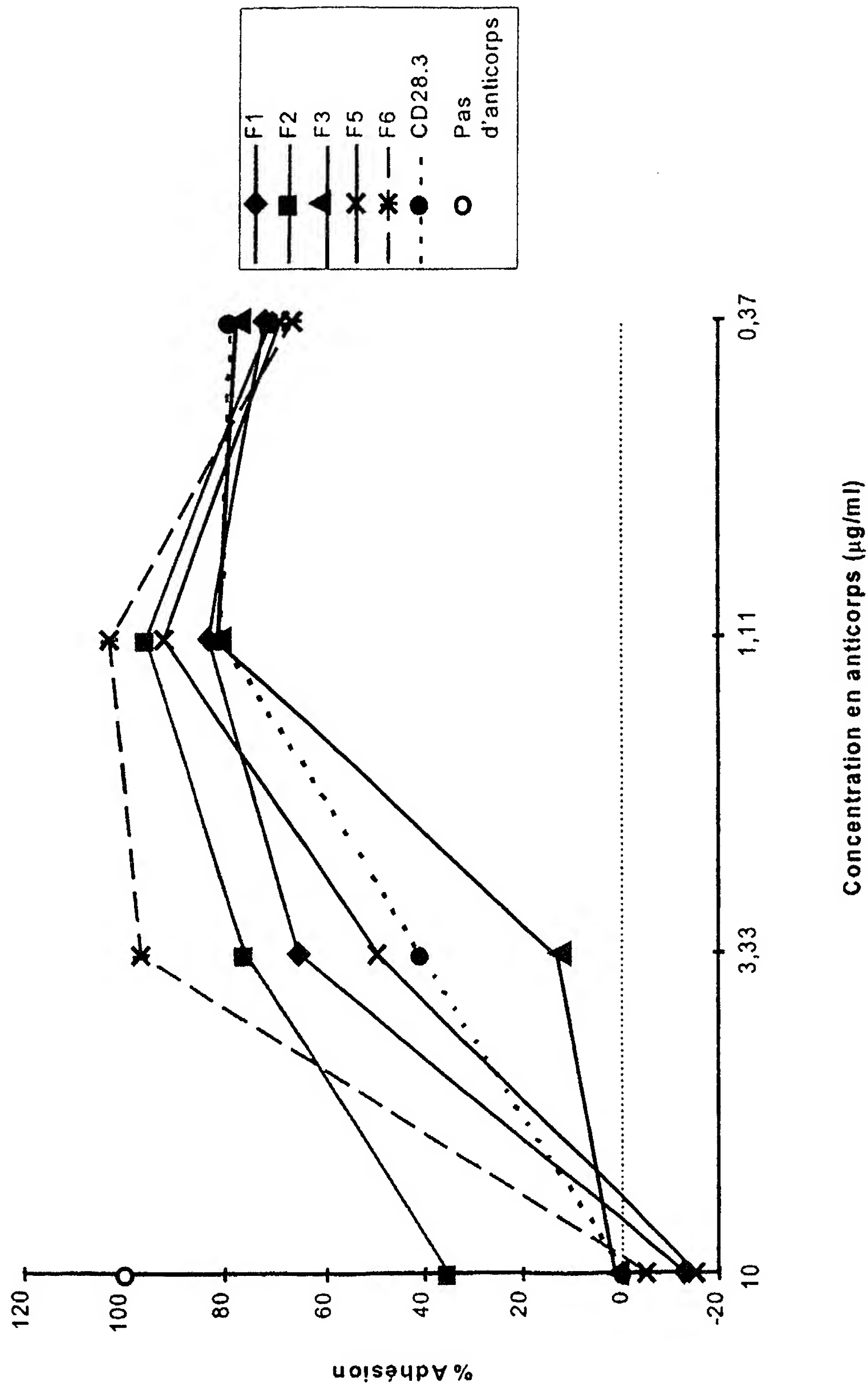


Figure 3

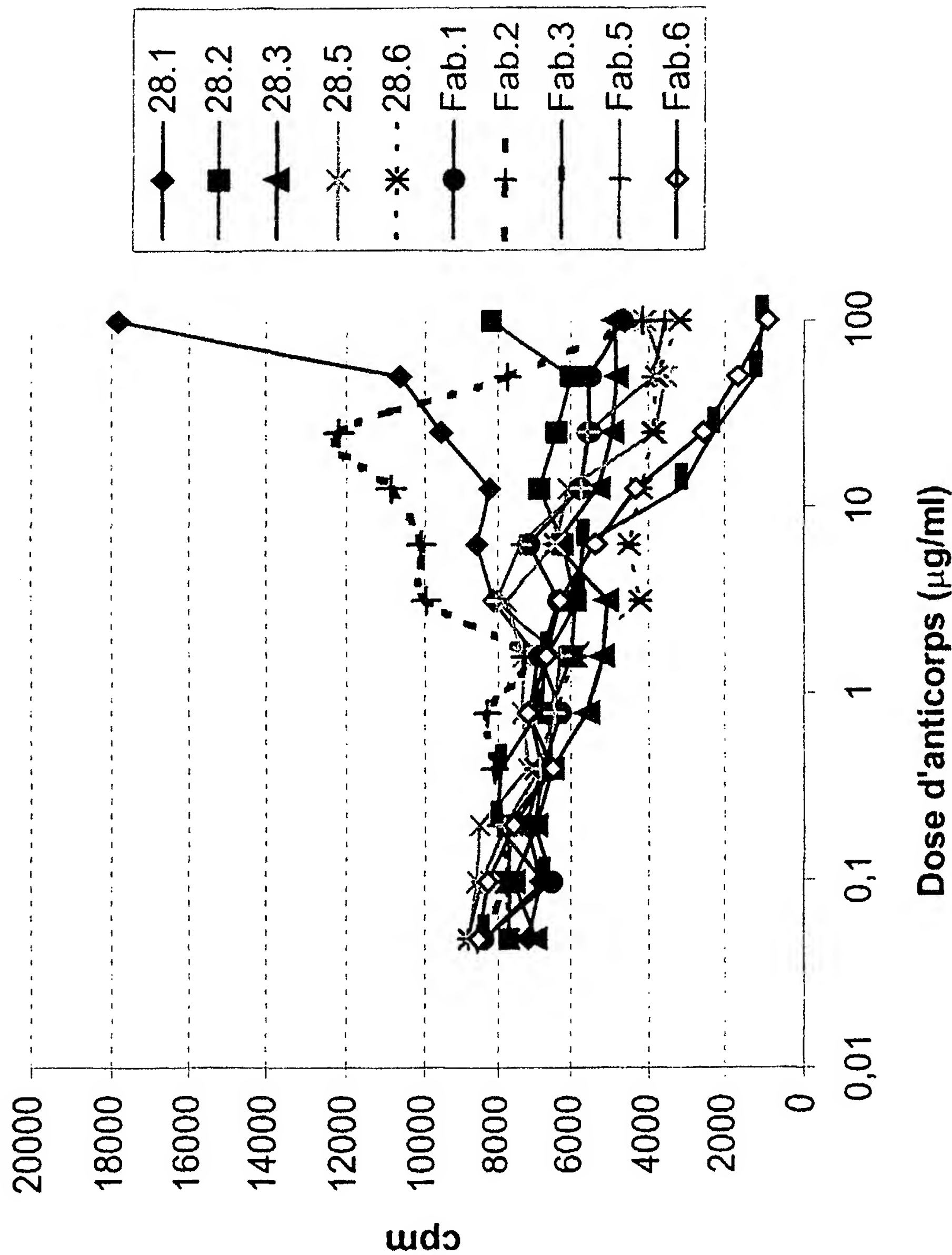


Figure 4

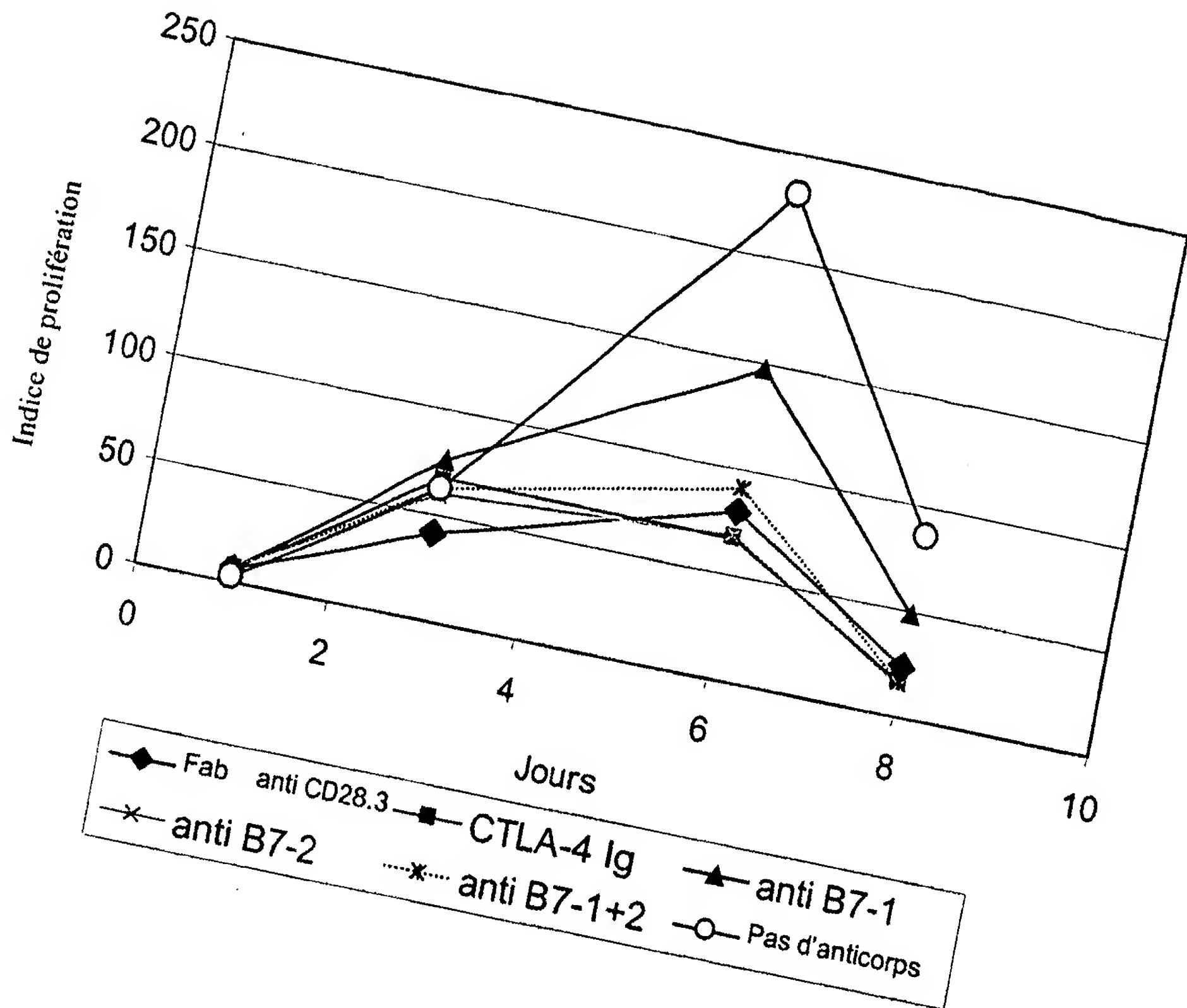


Figure 5

LISTE DE SEQUENCES

<110> INSERM
IMTIXT SANGSTAT
LAFLAMME, Geneviève
VANHOVE, Bernard

<120> ANTICORPS ANTI-CD28

<130> MJPcb598-48

<140>
<141>

<150> 00 17025
<151> 2000-12-26

<160> 4

<170> PatentIn Ver. 2.1

<210> 1
<211> 732
<212> ADN
<213> Séquence artificielle

<220>
<223> Description de la séquence artificielle: fragment
scFv

<220>
<221> CDS
<222> (1)..(732)

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(360)
<223> chaîne légère

<220>
<221> misc_feature
<222> (406)..(732)
<223> chaîne lourde

<220>
<221> misc_feature
<222> (361)..(405)
<223> lieu

<220>
<221> misc_feature
<222> (85)..(96)
<223> CDR1

<220>
<221> misc_feature
<222> (139)..(189)
<223> CDR2

<220>

<221> misc_feature
 <222> (286)..(324)
 <223> CDR3

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (496)..(522)
 <223> CDR1

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (553)..(576)
 <223> CDR2

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (673)..(681)
 <223> CDR3

<400> 1

gtc aag ctg cag cag tca gga gct gag ctg gtg aaa ccc ggg gcg tcg	48
Val Lys Leu Gln Gln Ser Gly Ala Glu Leu Val Lys Pro Gly Ala Ser	
1 5 10 15	
gtg agg ctg tcc tgc aag gcg tct ggt tac acc ttc act gaa tat att	96
Val Arg Leu Ser Cys Lys Ala Ser Gly Tyr Thr Phe Thr Glu Tyr Ile	
20 25 30	
ata cac tgg ata aag ctg agg tct gga cag ggt ctt gag tgg att ggg	144
Ile His Trp Ile Lys Leu Arg Ser Gly Gln Gly Leu Glu Trp Ile Gly	
35 40 45	
tgg ttt tac cct gga agt aat gat ata cag tac aat gcg aaa ttc aag	192
Trp Phe Tyr Pro Gly Ser Asn Asp Ile Gln Tyr Asn Ala Lys Phe Lys	
50 55 60	
ggc aag gcc aca ttg act gcg gac aaa tcc tcc agc acc gtc tat atg	240
Gly Lys Ala Thr Leu Thr Ala Asp Lys Ser Ser Ser Thr Val Tyr Met	
65 70 75 80	
gaa ctt act gga ttg aca tct gag gac tct gcg gtc tat ttc tgt gca	288
Glu Leu Thr Gly Leu Thr Ser Glu Asp Ser Ala Val Tyr Phe Cys Ala	
85 90 95	
aga cgc gac gat ttc tct ggt tac gac gcc ctt cct tac tgg ggc caa	336
Arg Arg Asp Asp Phe Ser Gly Tyr Asp Ala Leu Pro Tyr Trp Gly Gln	
100 105 110	
ggg acc atg gtc acc gtc tcc tca ggt gga ggc ggt tca ggc gga ggt	384
Gly Thr Met Val Thr Val Ser Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly	
115 120 125	
ggc tct ggc ggt ggc gga tcc gac atc cag atg acc cag tct cca gcc	432
Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ala	
130 135 140	
tcc cta tct gtt tct gtg gga gaa act gtc acc atc acg tgt cga aca	480
Ser Leu Ser Val Ser Val Gly Glu Thr Val Thr Ile Thr Cys Arg Thr	
145 150 155 160	

aat gaa aat att tac agt aat tta gca tgg tat cag cag aaa cag gga 528
 Asn Glu Asn Ile Tyr Ser Asn Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Gln Gly
 165 170 175

aaa tct cct cag ctc ctg atc tat gct gca aca cac tta gta gag ggt 576
 Lys Ser Pro Gln Leu Leu Ile Tyr Ala Ala Thr His Leu Val Glu Gly
 180 185 190

gtg cca tca agg ttc agt ggc agt gga tca ggc aca cag tat tcc ctc 624
 Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Gln Tyr Ser Leu
 195 200 205

aag atc acc agc ctg cag tct gaa gat ttt ggg aat tat tac tgt caa 672
 Lys Ile Thr Ser Leu Gln Ser Glu Asp Phe Gly Asn Tyr Tyr Cys Gln
 210 215 220

cac ttt tgg ggt act ccg tgc acg ttc gga ggg ggg acc aag ctg gaa 720
 His Phe Trp Gly Thr Pro Cys Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Glu
 225 230 235 240

ata aaa cgg act 732
 Ile Lys Arg Thr

<210> 2

<211> 244

<212> PRT

<213> Séquence artificielle

<223> Description de la séquence artificielle: fragment
 scFv

<400> 2

Val Lys Leu Gln Gln Ser Gly Ala Glu Leu Val Lys Pro Gly Ala Ser
 1 5 10 15

Val Arg Leu Ser Cys Lys Ala Ser Gly Tyr Thr Phe Thr Glu Tyr Ile
 20 25 30

Ile His Trp Ile Lys Leu Arg Ser Gly Gln Gly Leu Glu Trp Ile Gly
 35 40 45

Trp Phe Tyr Pro Gly Ser Asn Asp Ile Gln Tyr Asn Ala Lys Phe Lys
 50 55 60

Gly Lys Ala Thr Leu Thr Ala Asp Lys Ser Ser Ser Thr Val Tyr Met
 65 70 75 80

Glu Leu Thr Gly Leu Thr Ser Glu Asp Ser Ala Val Tyr Phe Cys Ala
 85 90 95

Arg Arg Asp Asp Phe Ser Gly Tyr Asp Ala Leu Pro Tyr Trp Gly Gln
 100 105 110

Gly Thr Met Val Thr Val Ser Ser Gly Gly Gly Gly Ser Gly Gly Gly
 115 120 125

Gly Ser Gly Gly Gly Gly Ser Asp Ile Gln Met Thr Gln Ser Pro Ala
 130 135 140

Ser Leu Ser Val Ser Val Gly Glu Thr Val Thr Ile Thr Cys Arg Thr
 145 150 155 160
 Asn Glu Asn Ile Tyr Ser Asn Leu Ala Trp Tyr Gln Gln Lys Gln Gly
 165 170 175
 Lys Ser Pro Gln Leu Leu Ile Tyr Ala Ala Thr His Leu Val Glu Gly
 180 185 190
 Val Pro Ser Arg Phe Ser Gly Ser Gly Ser Gly Thr Gln Tyr Ser Leu
 195 200 205
 Lys Ile Thr Ser Leu Gln Ser Glu Asp Phe Gly Asn Tyr Tyr Cys Gln
 210 215 220
 His Phe Trp Gly Thr Pro Cys Thr Phe Gly Gly Gly Thr Lys Leu Glu
 225 230 235 240
 Ile Lys Arg Thr

<210> 3
 <211> 2013
 <212> ADN
 <213> Séquence artificielle

<220>
 <223> Description de la séquence artificielle: fusion
 scFv anti-CD28/alpha-1 antitrypsine

<220>
 <221> CDS
 <222> (1)..(2013)

<220>
 <221> misc_signal
 <222> (1)..(57)
 <223> signal Omp A

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (64)..(75)
 <223> Flag Tag

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (109)..(810)
 <223> scFv 28.3

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (826)..(1992)
 <223> alpha-1 antitrypsine

<220>
 <221> misc_feature
 <222> (1993)..(2007)
 <223> His Tag

<400> 3

atg	aaa	aag	aca	gct	atc	gcg	att	gca	gtg	gca	ctg	gct	ggt	ttc	gct	48
Met	Lys	Lys	Thr	Ala	Ile	Ala	Ile	Ala	Val	Ala	Leu	Ala	Gly	Phe	Ala	
1				5				10					15			
acc	gta	gcg	cag	gcc	gac	tac	aaa	gat	atc	gtc	aag	ctg	cag	cag	tca	96
Thr	Val	Ala	Gln	Ala	Asp	Tyr	Lys	Asp	Ile	Val	Lys	Leu	Gln	Gln	Ser	
			20				25						30			
gga	gct	gag	ctg	gtg	aaa	ccc	ggg	gcg	tcg	gtg	agg	ctg	tcc	tgc	aag	144
Gly	Ala	Glu	Leu	Val	Lys	Pro	Gly	Ala	Ser	Val	Arg	Leu	Ser	Cys	Lys	
		35					40					45				
gcg	tct	ggt	tac	acc	ttc	act	gaa	tat	att	ata	cac	tgg	ata	aag	ctg	192
Ala	Ser	Gly	Tyr	Thr	Phe	Thr	Glu	Tyr	Ile	Ile	His	Trp	Ile	Lys	Leu	
	50					55					60					
agg	tct	gga	cag	ggt	ctt	gag	tgg	att	ggg	tgg	ttt	tac	cct	gga	agt	240
Arg	Ser	Gly	Gln	Gly	Leu	Glu	Trp	Ile	Gly	Trp	Phe	Tyr	Pro	Gly	Ser	
	65				70				75						80	
aat	gat	ata	cag	tac	aat	gcg	aaa	ttc	aag	ggc	aag	gcc	aca	ttg	act	288
Asn	Asp	Ile	Gln	Tyr	Asn	Ala	Lys	Phe	Lys	Gly	Lys	Ala	Thr	Leu	Thr	
			85				90							95		
gcg	gac	aaa	tcc	tcc	agc	acc	gtc	tat	atg	gaa	ctt	act	gga	ttg	aca	336
Ala	Asp	Lys	Ser	Ser	Ser	Thr	Val	Tyr	Met	Glu	Leu	Thr	Gly	Leu	Thr	
			100				105						110			
tct	gag	gac	tct	gcg	gtc	tat	ttc	tgt	gca	aga	cgc	gac	gat	ttc	tct	384
Ser	Glu	Asp	Ser	Ala	Val	Tyr	Phe	Cys	Ala	Arg	Arg	Asp	Asp	Phe	Ser	
		115					120					125				
ggt	tac	gac	gcc	ctt	cct	tac	tgg	ggc	caa	ggg	acc	atg	gtc	acc	gtc	432
Gly	Tyr	Asp	Ala	Leu	Pro	Tyr	Trp	Gly	Gln	Gly	Thr	Met	Val	Thr	Val	
	130					135					140					
tcc	tca	ggt	gga	ggc	ggt	tca	ggc	gga	ggt	ggc	tct	ggc	ggt	ggc	gga	480
Ser	Ser	Gly	Gly	Gly	Gly	Ser	Gly	Gly	Gly	Gly	Ser	Gly	Gly	Gly	Gly	
	145				150					155					160	
tcg	gac	atc	cag	atg	acc	cag	tct	cca	gcc	tcc	cta	tct	gtt	tct	gtg	528
Ser	Asp	Ile	Gln	Met	Thr	Gln	Ser	Pro	Ala	Ser	Leu	Ser	Val	Ser	Val	
			165					170						175		
gga	gaa	act	gtc	acc	atc	acg	tgt	cga	aca	aat	gaa	aat	att	tac	agt	576
Gly	Glu	Thr	Val	Thr	Ile	Thr	Cys	Arg	Thr	Asn	Glu	Asn	Ile	Tyr	Ser	
			180				185						190			
aat	tta	gca	tgg	tat	cag	cag	aaa	cag	gga	aaa	tct	cct	cag	ctc	ctg	624
Asn	Leu	Ala	Trp	Tyr	Gln	Gln	Lys	Gln	Gly	Lys	Ser	Pro	Gln	Leu	Leu	
		195					200					205				
atc	tat	gct	gca	aca	cac	tta	gta	gag	ggt	gtg	cca	tca	agg	ttc	agt	672
Ile	Tyr	Ala	Ala	Thr	His	Leu	Val	Glu	Gly	Val	Pro	Ser	Arg	Phe	Ser	
	210					215					220					
ggc	agt	gga	tca	ggc	aca	cag	tat	tcc	ctc	aag	atc	acc	agc	ctg	cag	720
Gly	Ser	Gly	Ser	Gly	Thr	Gln	Tyr	Ser	Leu	Lys	Ile	Thr	Ser	Leu	Gln	
	225				230					235					240	

tct	gaa	gat	ttt	ggg	aat	tat	tac	tgt	caa	cac	ttt	tgg	ggt	act	ccg	768
Ser	Glu	Asp	Phe	Gly	Asn	Tyr	Tyr	Cys	Gln	His	Phe	Trp	Gly	Thr	Pro	
				245					250					255		
tgc	acg	ttc	gga	ggg	ggg	acc	aag	ctg	gaa	ata	aaa	cgg	act	gtg	gct	816
Cys	Thr	Phe	Gly	Gly	Gly	Thr	Lys	Leu	Glu	Ile	Lys	Arg	Thr	Val	Ala	
			260					265					270			
gca	cca	tct	gaa	ttc	aac	aag	atc	acc	ccc	aac	ctg	gct	gag	ttc	gcc	864
Ala	Pro	Ser	Glu	Phe	Asn	Lys	Ile	Thr	Pro	Asn	Leu	Ala	Glu	Phe	Ala	
			275				280					285				
ttc	agc	cta	tac	cgc	cag	ctg	gca	cac	cag	tcc	aac	agc	acc	aat	atc	912
Phe	Ser	Leu	Tyr	Arg	Gln	Leu	Ala	His	Gln	Ser	Asn	Ser	Thr	Asn	Ile	
	290					295					300					
ttc	ttc	tcc	cca	gtg	agc	atc	gct	aca	gcc	ttt	gca	atg	ctc	tcc	ctg	960
Phe	Phe	Ser	Pro	Val	Ser	Ile	Ala	Thr	Ala	Phe	Ala	Met	Leu	Ser	Leu	
305					310					315					320	
ggg	acc	aag	gct	gac	act	cac	gat	gaa	atc	ctg	gag	ggc	ctg	aat	ttc	1008
Gly	Thr	Lys	Ala	Asp	Thr	His	Asp	Glu	Ile	Leu	Glu	Gly	Leu	Asn	Phe	
				325					330					335		
aac	ctc	acg	gag	att	ccg	gag	gct	cag	atc	cat	gaa	ggc	ttc	cag	gaa	1056
Asn	Leu	Thr	Glu	Ile	Pro	Glu	Ala	Gln	Ile	His	Glu	Gly	Phe	Gln	Glu	
			340					345					350			
ctc	ctc	cgt	acc	ctc	aac	cag	cca	gac	agc	cag	ctc	cag	ctg	acc	acc	1104
Leu	Leu	Arg	Thr	Leu	Asn	Gln	Pro	Asp	Ser	Gln	Leu	Gln	Leu	Thr	Thr	
		355					360					365				
ggc	aat	ggc	ctg	ttc	ctc	agc	gag	ggc	ctg	aag	cta	gtg	gat	aag	ttt	1152
Gly	Asn	Gly	Leu	Phe	Leu	Ser	Glu	Gly	Leu	Lys	Leu	Val	Asp	Lys	Phe	
	370					375					380					
ttg	gag	gat	gtt	aaa	aag	ttg	tac	cac	tca	gaa	gcc	ttc	act	gtc	aac	1200
Leu	Glu	Asp	Val	Lys	Lys	Leu	Tyr	His	Ser	Glu	Ala	Phe	Thr	Val	Asn	
385					390					395					400	
ttc	ggg	gac	acc	gaa	gag	gcc	aag	aaa	cag	atc	aac	gat	tac	gtg	gag	1248
Phe	Gly	Asp	Thr	Glu	Glu	Ala	Lys	Lys	Gln	Ile	Asn	Asp	Tyr	Val	Glu	
				405					410					415		
aag	ggt	act	caa	ggg	aaa	att	gtg	gat	ttg	gtc	aag	gag	ctt	gac	aga	1296
Lys	Gly	Thr	Gln	Gly	Lys	Ile	Val	Asp	Leu	Val	Lys	Glu	Leu	Asp	Arg	
			420					425					430			
gac	aca	gtt	ttt	gct	ctg	gtg	aat	tac	atc	ttc	ttt	aaa	ggc	aaa	tgg	1344
Asp	Thr	Val	Phe	Ala	Leu	Val	Asn	Tyr	Ile	Phe	Phe	Lys	Gly	Lys	Trp	
			435				440					445				
gag	aga	ccc	ttt	gaa	gtc	aag	gac	acc	gag	gaa	gag	gac	ttc	cac	gtg	1392
Glu	Arg	Pro	Phe	Glu	Val	Lys	Asp	Thr	Glu	Glu	Glu	Asp	Phe	His	Val	
	450					455					460					
gac	cag	gtg	acc	acc	gtg	aag	gtg	cct	atg	atg	aag	cgt	tta	ggc	atg	1440
Asp	Gln	Val	Thr	Thr	Val	Lys	Val	Pro	Met	Met	Lys	Arg	Leu	Gly	Met	
465					470					475					480	

ttt aac atc cag cac tgt aag aag ctg tcc agc tgg gtg ctg ctg atg	1488
Phe Asn Ile Gln His Cys Lys Lys Leu Ser Ser Trp Val Leu Leu Met	
485 490 495	
aaa tac ctg ggc aat gcc acc gcc atc ttc ttc ctg cct gat gag ggg	1536
Lys Tyr Leu Gly Asn Ala Thr Ala Ile Phe Phe Leu Pro Asp Glu Gly	
500 505 510	
aaa cta cag cac ctg gaa aat gaa ctc acc cac gat atc atc acc aag	1584
Lys Leu Gln His Leu Glu Asn Glu Leu Thr His Asp Ile Ile Thr Lys	
515 520 525	
ttc ctg gaa aat gaa gac aga agg tct gcc agc tta cat tta ccc aaa	1632
Phe Leu Glu Asn Glu Asp Arg Arg Ser Ala Ser Leu His Leu Pro Lys	
530 535 540	
ctg tcc att act gga acc tat gat ctg aag agc gtc ctg ggt caa ctg	1680
Leu Ser Ile Thr Gly Thr Tyr Asp Leu Lys Ser Val Leu Gly Gln Leu	
545 550 555 560	
ggc atc act aag gtc ttc agc aat ggg gct gac ctc tcc ggg gtc aca	1728
Gly Ile Thr Lys Val Phe Ser Asn Gly Ala Asp Leu Ser Gly Val Thr	
565 570 575	
gag gag gca ccc ctg aag ctc tcc aag gcc gtg cat aag gct gtg ctg	1776
Glu Glu Ala Pro Leu Lys Leu Ser Lys Ala Val His Lys Ala Val Leu	
580 585 590	
acc atc gac gag aaa ggg act gaa gct gct ggg gcc atg ttt tta gag	1824
Thr Ile Asp Glu Lys Gly Thr Glu Ala Ala Gly Ala Met Phe Leu Glu	
595 600 605	
gcc ata ccc atg tct atc ccc ccc gag gtc aag ttc aac aaa ccc ttt	1872
Ala Ile Pro Met Ser Ile Pro Pro Glu Val Lys Phe Asn Lys Pro Phe	
610 615 620	
gtc ttc tta atg att gaa caa aat acc aag tct ccc ctc ttc atg gga	1920
Val Phe Leu Met Ile Glu Gln Asn Thr Lys Ser Pro Leu Phe Met Gly	
625 630 635 640	
aaa gtg gtg aat ccc acc caa aaa ctc gag gga gaa ttc gaa cag aaa	1968
Lys Val Val Asn Pro Thr Gln Lys Leu Glu Gly Glu Phe Glu Gln Lys	
645 650 655	
ctg atc tct gaa gaa gac ctg aac cac cac cac cac tga taa	2013
Leu Ile Ser Glu Glu Asp Leu Asn His His His His	
660 665 670	

<210> 4

<211> 669

<212> PRT

<213> Séquence artificielle

<223> Description de la séquence artificielle: fusion
scFv anti-CD28/alpha-1 antitrypsine

<400> 4

Met Lys Lys Thr Ala Ile Ala Ile Ala Val Ala Leu Ala Gly Phe Ala
1 5 10 15

Thr	Val	Ala	Gln	Ala	Asp	Tyr	Lys	Asp	Ile	Val	Lys	Leu	Gln	Gln	Ser			
			20					25					30					
Gly	Ala	Glu	Leu	Val	Lys	Pro	Gly	Ala	Ser	Val	Arg	Leu	Ser	Cys	Lys			
		35					40					45						
Ala	Ser	Gly	Tyr	Thr	Phe	Thr	Glu	Tyr	Ile	Ile	His	Trp	Ile	Lys	Leu			
	50					55					60							
Arg	Ser	Gly	Gln	Gly	Leu	Glu	Trp	Ile	Gly	Trp	Phe	Tyr	Pro	Gly	Ser			
	65				70					75					80			
Asn	Asp	Ile	Gln	Tyr	Asn	Ala	Lys	Phe	Lys	Gly	Lys	Ala	Thr	Leu	Thr			
			85					90						95				
Ala	Asp	Lys	Ser	Ser	Ser	Thr	Val	Tyr	Met	Glu	Leu	Thr	Gly	Leu	Thr			
			100					105					110					
Ser	Glu	Asp	Ser	Ala	Val	Tyr	Phe	Cys	Ala	Arg	Arg	Asp	Asp	Phe	Ser			
		115					120					125						
Gly	Tyr	Asp	Ala	Leu	Pro	Tyr	Trp	Gly	Gln	Gly	Thr	Met	Val	Thr	Val			
	130					135					140							
Ser	Ser	Gly	Gly	Gly	Gly	Ser	Gly	Gly	Gly	Gly	Ser	Gly	Gly	Gly	Gly			
145					150					155					160			
Ser	Asp	Ile	Gln	Met	Thr	Gln	Ser	Pro	Ala	Ser	Leu	Ser	Val	Ser	Val			
			165					170						175				
Gly	Glu	Thr	Val	Thr	Ile	Thr	Cys	Arg	Thr	Asn	Glu	Asn	Ile	Tyr	Ser			
			180					185					190					
Asn	Leu	Ala	Trp	Tyr	Gln	Gln	Lys	Gln	Gly	Lys	Ser	Pro	Gln	Leu	Leu			
		195					200					205						
Ile	Tyr	Ala	Ala	Thr	His	Leu	Val	Glu	Gly	Val	Pro	Ser	Arg	Phe	Ser			
	210				215						220							
Gly	Ser	Gly	Ser	Gly	Thr	Gln	Tyr	Ser	Leu	Lys	Ile	Thr	Ser	Leu	Gln			
225					230					235					240			
Ser	Glu	Asp	Phe	Gly	Asn	Tyr	Tyr	Cys	Gln	His	Phe	Trp	Gly	Thr	Pro			
			245					250						255				
Cys	Thr	Phe	Gly	Gly	Gly	Thr	Lys	Leu	Glu	Ile	Lys	Arg	Thr	Val	Ala			
			260					265					270					
Ala	Pro	Ser	Glu	Phe	Asn	Lys	Ile	Thr	Pro	Asn	Leu	Ala	Glu	Phe	Ala			
		275					280					285						
Phe	Ser	Leu	Tyr	Arg	Gln	Leu	Ala	His	Gln	Ser	Asn	Ser	Thr	Asn	Ile			
	290				295						300							
Phe	Phe	Ser	Pro	Val	Ser	Ile	Ala	Thr	Ala	Phe	Ala	Met	Leu	Ser	Leu			
305					310					315					320			
Gly	Thr	Lys	Ala	Asp	Thr	His	Asp	Glu	Ile	Leu	Glu	Gly	Leu	Asn	Phe			
			325					330						335				
Asn	Leu	Thr	Glu	Ile	Pro	Glu	Ala	Gln	Ile	His	Glu	Gly	Phe	Gln	Glu			
			340					345					350					
Leu	Leu	Arg	Thr	Leu	Asn	Gln	Pro	Asp	Ser	Gln	Leu	Gln	Leu	Thr	Thr			
		355					360					365						
Gly	Asn	Gly	Leu	Phe	Leu	Ser	Glu	Gly	Leu	Lys	Leu	Val	Asp	Lys	Phe			
	370					375					380							
Leu	Glu	Asp	Val	Lys	Lys	Leu	Tyr	His	Ser	Glu	Ala	Phe	Thr	Val	Asn			
385					390					395					400			
Phe	Gly	Asp	Thr	Glu	Glu	Ala	Lys	Lys	Gln	Ile	Asn	Asp	Tyr	Val	Glu			
			405						410					415				
Lys	Gly	Thr	Gln	Gly	Lys	Ile	Val	Asp	Leu	Val	Lys	Glu	Leu	Asp	Arg			
			420					425					430					
Asp	Thr	Val	Phe	Ala	Leu	Val	Asn	Tyr	Ile	Phe	Phe	Lys	Gly	Lys	Trp			
		435					440					445						
Glu	Arg	Pro	Phe	Glu	Val	Lys	Asp	Thr	Glu	Glu	Glu	Asp	Phe	His	Val			
	450					455						460						
Asp	Gln	Val	Thr	Thr	Val	Lys	Val	Pro	Met	Met	Lys	Arg	Leu	Gly	Met			
465					470					475					480			
Phe	Asn	Ile	Gln	His	Cys	Lys	Lys	Leu	Ser	Ser	Trp	Val	Leu	Leu	Met			
				485					490					495				

Lys	Tyr	Leu	Gly	Asn	Ala	Thr	Ala	Ile	Phe	Phe	Leu	Pro	Asp	Glu	Gly
			500					505					510		
Lys	Leu	Gln	His	Leu	Glu	Asn	Glu	Leu	Thr	His	Asp	Ile	Ile	Thr	Lys
		515					520					525			
Phe	Leu	Glu	Asn	Glu	Asp	Arg	Arg	Ser	Ala	Ser	Leu	His	Leu	Pro	Lys
	530					535					540				
Leu	Ser	Ile	Thr	Gly	Thr	Tyr	Asp	Leu	Lys	Ser	Val	Leu	Gly	Gln	Leu
545					550					555					560
Gly	Ile	Thr	Lys	Val	Phe	Ser	Asn	Gly	Ala	Asp	Leu	Ser	Gly	Val	Thr
				565				570						575	
Glu	Glu	Ala	Pro	Leu	Lys	Leu	Ser	Lys	Ala	Val	His	Lys	Ala	Val	Leu
			580					585					590		
Thr	Ile	Asp	Glu	Lys	Gly	Thr	Glu	Ala	Ala	Gly	Ala	Met	Phe	Leu	Glu
		595					600					605			
Ala	Ile	Pro	Met	Ser	Ile	Pro	Pro	Glu	Val	Lys	Phe	Asn	Lys	Pro	Phe
	610					615					620				
Val	Phe	Leu	Met	Ile	Glu	Gln	Asn	Thr	Lys	Ser	Pro	Leu	Phe	Met	Gly
625					630					635					640
Lys	Val	Val	Asn	Pro	Thr	Gln	Lys	Leu	Glu	Gly	Glu	Phe	Glu	Gln	Lys
			645					650						655	
Leu	Ile	Ser	Glu	Glu	Asp	Leu	Asn	His	His	His	His	His			
			660					665							

Référence du dossier du déposant ou du mandataire	IPcb598/48	Demande internationale n	PCT/FR01/04203
---	------------	--------------------------	----------------

INDICATIONS RELATIVES A UN MICRO-ORGANISME DEPOSE

(règle 13bis du PCT)

A. Les indications ont trait au micro-organisme visé dans la description page <u>3</u> , ligne <u>26-30</u>	
B. IDENTIFICATION DU DEPOT	
D'autres dépôts font l'objet d'une feuille supplémentaire <input type="checkbox"/>	
Nom de l'institution de dépôt Collection Nationale de Cultures de Micro-organismes	
Adresse de l'institution de dépôt (y compris le code postal et le pays) Institut Pasteur 28, rue du Docteur Roux 75794 PARIS CEDEX 15 FRANCE	
Date du dépôt 28 NOVEMBRE 2000	n° d'ordre I-2582
C. INDICATIONS SUPPLEMENTAIRES (le cas échéant)	
Une feuille supplémentaire est jointe pour la suite de ces renseignements <input type="checkbox"/>	
« En ce qui concerne les désignations dans lesquelles un brevet européen est demandé, un échantillon du micro-organisme déposé ne sera accessible que par la remise d'un échantillon à un expert désigné par le requérant dans les conditions définies à la règle 28.4 CBE ».	
D. ETATS DESIGNES POUR LESQUELS LES INDICATIONS SONT DONNEES (si les indications ne sont pas données pour tous les Etats désignés)	
EP : (AT, BE, CH&LI, CY, DE, DK, ES, FI, FR, GB, GR, IE, IT, LU, MC, NL, PT, SE, TR)	
E. INDICATIONS FOURNIES SEPAREMENT (le cas échéant)	
Les indications énumérées ci-après seront fournies ultérieurement au Bureau international (spécifier la nature générale des indications p. ex., "n° d'ordre du dépôt")	

Réservé à l'office récepteur	
<input type="checkbox"/>	Cette feuille a été reçue en même temps que la demande internationale
Fonctionnaire autorisé	

Réservé au Bureau international	
<input type="checkbox"/>	Cette feuille est parvenue au Bureau international le : 19 2 FEB 2002
Fonctionnaire autorisé	

Référence du dossier du déposant ou du mandataire	MJPcb598/48	Demande internationale n°	PCT/FR01/04203
---	-------------	---------------------------	----------------

INDICATIONS RELATIVES A UN MICRO-ORGANISME DEPOSE

(règle 13bis du PCT)

A. Les indications ont trait au micro-organisme visé dans la description page <u>6</u> , ligne <u>1-6</u>	
B. IDENTIFICATION DU DEPOT	
D'autres dépôts font l'objet d'une feuille supplémentaire <input type="checkbox"/>	
Nom de l'institution de dépôt Collection Nationale de Cultures de Micro-organismes	
Adresse de l'institution de dépôt (y compris le code postal et le pays) Institut Pasteur 28, rue du Docteur Roux 75794 PARIS CEDEX 15 FRANCE	
Date du dépôt 11 DECEMBRE 2001	n° d'ordre I-2762
C. INDICATIONS SUPPLEMENTAIRES (le cas échéant)	
Une feuille supplémentaire est jointe pour la suite de ces renseignements <input type="checkbox"/>	
« En ce qui concerne les désignations dans lesquelles un brevet européen est demandé, un échantillon du micro-organisme déposé ne sera accessible que par la remise d'un échantillon à un expert désigné par le requérant dans les conditions définies à la règle 28.4 CBE ».	
D. ETATS DESIGNES POUR LESQUELS LES INDICATIONS SONT DONNEES (si les indications ne sont pas données pour tous les Etats désignés)	
EP : (AT, BE, CH&LI, CY, DE, DK, ES, FI, FR, GB, GR, IE, IT, LU, MC, NL, PT, SE, TR)	
E. INDICATIONS FOURNIES SEPAREMENT (le cas échéant)	
Les indications énumérées ci-après seront fournies ultérieurement au Bureau international (spécifier la nature générale des indications p. ex., "n° d'ordre du dépôt")	

Réservé à l'office récepteur	
<input type="checkbox"/>	Cette feuille a été reçue en même temps que la demande internationale
Fonctionnaire autorisé	

Réservé au Bureau international	
<input type="checkbox"/>	Cette feuille est parvenue au Bureau international le : 12 FEB 2002
Fonctionnaire autorisé	

(12) DEMANDE INTERNATIONALE PUBLIÉE EN VERTU DU TRAITÉ DE COOPÉRATION
EN MATIÈRE DE BREVETS (PCT)

(19) Organisation Mondiale de la Propriété
Intellectuelle
Bureau international



(43) Date de la publication internationale
4 juillet 2002 (04.07.2002)

PCT

(10) Numéro de publication internationale
WO 02/051871 A3

(51) Classification internationale des brevets⁷ :
C07K 16/28, C12N 15/13, 15/63, 5/20,
A61K 39/395, A61P 37/06, 37/08, 29/00

VANHOVE, Bernard [FR/FR]; 72 bis, rue Henri Bar-
busse, F-44400 REZE (FR).

(21) Numéro de la demande internationale :
PCT/FR01/04203

(74) Mandataires : **ORES, Béatrice** etc.; CABINET ORES, 6,
avenue de Messine, F-75008 PARIS (FR).

(22) Date de dépôt international :
26 décembre 2001 (26.12.2001)

(81) États désignés (*national*) : JP, US.

(25) Langue de dépôt : français

(84) États désignés (*régional*) : brevet européen (AT, BE, CH,
CY, DE, DK, ES, FI, FR, GB, GR, IE, IT, LU, MC, NL, PT,
SE, TR).

(26) Langue de publication : français

Publiée :

- avec rapport de recherche internationale
- avant l'expiration du délai prévu pour la modification des revendications, sera republiée si des modifications sont reçues
- avec une (des) indication(s) relative(s) à du matériel biologique déposé, fournie(s) selon la règle 13bis, séparément, et non avec la description

(30) Données relatives à la priorité :
00/17025 26 décembre 2000 (26.12.2000) FR

(88) Date de publication du rapport de recherche
internationale: 15 août 2002

(71) Déposant (*pour tous les États désignés sauf US*) : **INSTITUT NATIONAL DE LA SANTE ET DE LA RECHERCHE MEDICALE (INSERM)** [FR/FR]; 101, rue de Tolbiac, F-75013 PARIS (FR).

(72) Inventeurs; et

(75) Inventeurs/Déposants (*pour US seulement*) : **SOULILLOU, Jean-Paul** [FR/FR]; 32 ter, rue de l'Abbaye, F-44100 Nantes (FR). **LAFLAMME, Geneviève** [FR/FR]; 141, rue d'Allonville, Appt. 9, F-44000 NANTES (FR).

En ce qui concerne les codes à deux lettres et autres abréviations, se référer aux "Notes explicatives relatives aux codes et abréviations" figurant au début de chaque numéro ordinaire de la Gazette du PCT.



WO 02/051871 A3

(54) Title: ANTI-CD28 ANTIBODY

(54) Titre : ANTICORPS ANTI-CD28

(57) Abstract: The invention concerns an antibody directed against the CD28 receptor and capable of blocking CD28/B7 interaction, and proteins derived from said antibody, for use in particular to block CD28-dependent activation of lymphocytes.

(57) Abrégé : Anticorps dirigé contre le récepteur CD28, et capable de bloquer l'interaction CD28/B7, et protéines dérivées de cet anticorps, utilisables notamment pour bloquer l'activation CD28-dépendante des lymphocytes.

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International Application No
FR 01/04203

C.(Continuation) DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT		
Category °	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
X	WO 94 28912 A (THE REGENTS OF THE UNIVERSITY OF MICHIGAN) 22 December 1994 (1994-12-22) claims 1-33 ----	1-12
X	GILLILAND L. K. ET AL.: "Rapid and reliable cloning of antibody variable regions and generation of recombinant single chain antibody fragments." TISSUE ANTIGENS, (1996) 47 (1) 1-20., XP000574883 page 11; table 4 ----	1-8
A	EP 0 440 373 A (SQUIBB BRISTOL MYERS CO) 7 August 1991 (1991-08-07) page 2, line 39 - line 50 page 3, line 43 - line 50 claims 1-69 ----	1-12
T	HASPOT FABIENNE ET AL: "Differential effect of CD28 versus B7 blockade on direct pathway of allorecognition and self-restricted responses." BLOOD. UNITED STATES 15 MAR 2002, vol. 99, no. 6, 15 March 2002 (2002-03-15), pages 2228-2234, XP002201786 ISSN: 0006-4971 the whole document -----	1-12

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International Application No
PCT/FR 01/04203

Patent document cited in search report		Publication date		Patent family member(s)	Publication date
WO 9428912	A	22-12-1994	AU	7107794 A	03-01-1995
			WO	9428912 A1	22-12-1994
EP 0440373	A	07-08-1991	AT	152170 T	15-05-1997
			CA	2034769 A1	26-07-1991
			DE	69125735 D1	28-05-1997
			DE	69125735 T2	04-09-1997
			DK	440373 T3	30-06-1997
			EP	0440373 A1	07-08-1991
			ES	2101715 T3	16-07-1997
			GR	3023723 T3	30-09-1997
			HU	56723 A2	28-10-1991
			IL	97023 A	18-03-1997
			ZA	9100463 A	30-09-1992

RAPPORT DE RECHERCHE INTERNATIONALE

de Internationale No
PCI/FR 01/04203

A. CLASSEMENT DE L'OBJET DE LA DEMANDE CIB 7 C07K16/28 C12N15/13 C12N15/63 C12N5/20 A61K39/395 A61P37/06 A61P37/08 A61P29/00		
Selon la classification internationale des brevets (CIB) ou à la fois selon la classification nationale et la CIB		
B. DOMAINES SUR LESQUELS LA RECHERCHE A PORTE Documentation minimale consultée (système de classification suivi des symboles de classement) CIB 7 C07K A61K		
Documentation consultée autre que la documentation minimale dans la mesure où ces documents relèvent des domaines sur lesquels a porté la recherche		
Base de données électronique consultée au cours de la recherche internationale (nom de la base de données, et si réalisable, termes de recherche utilisés) EPO-Internal, WPI Data, PAJ, BIOSIS, MEDLINE, EMBASE, CHEM ABS Data		
C. DOCUMENTS CONSIDERES COMME PERTINENTS		
Catégorie °	Identification des documents cités, avec, le cas échéant, l'indication des passages pertinents	no. des revendications visées
X	TAN P. ET AL.: "Humanization of an anti-CD28 antibody using germline human antibody sequences." BLOOD (2000 NOV) 96 (11 PART 1) 31A., XP002177441 abrégé	1-12
X	NUNES J ET AL: "CD28 mAbs with distinct binding properties differ in their ability to induce T cell activation: analysis of early and late activation events." INTERNATIONAL IMMUNOLOGY, (1993 MAR) 5 (3) 311-5., XP001024214 cité dans la demande le document en entier	1-9
-/-		
<input checked="" type="checkbox"/> Voir la suite du cadre C pour la fin de la liste des documents	<input checked="" type="checkbox"/> Les documents de familles de brevets sont indiqués en annexe	
° Catégories spéciales de documents cités: *A* document définissant l'état général de la technique, non considéré comme particulièrement pertinent *E* document antérieur, mais publié à la date de dépôt international ou après cette date *L* document pouvant jeter un doute sur une revendication de priorité ou cité pour déterminer la date de publication d'une autre citation ou pour une raison spéciale (telle qu'indiquée) *O* document se référant à une divulgation orale, à un usage, à une exposition ou tous autres moyens *P* document publié avant la date de dépôt international, mais postérieurement à la date de priorité revendiquée *T* document ultérieur publié après la date de dépôt international ou la date de priorité et n'appartenant pas à l'état de la technique pertinent, mais cité pour comprendre le principe ou la théorie constituant la base de l'invention *X* document particulièrement pertinent; l'invention revendiquée ne peut être considérée comme nouvelle ou comme impliquant une activité inventive par rapport au document considéré isolément *Y* document particulièrement pertinent; l'invention revendiquée ne peut être considérée comme impliquant une activité inventive lorsque le document est associé à un ou plusieurs autres documents de même nature, cette combinaison étant évidente pour une personne du métier *&* document qui fait partie de la même famille de brevets		
Date à laquelle la recherche internationale a été effectivement achevée 11 juin 2002		Date d'expédition du présent rapport de recherche internationale 21/06/2002
Nom et adresse postale de l'administration chargée de la recherche internationale Office Européen des Brevets, P.B. 5818 Patentlaan 2 NL - 2280 HV Rijswijk Tel. (+31-70) 340-2040, Tx. 31 651 epo nl, Fax: (+31-70) 340-3016		Fonctionnaire autorisé Le Flao, K

RAPPORT DE RECHERCHE INTERNATIONALE

D ide Internationale No
101/FR 01/04203

C.(suite) DOCUMENTS CONSIDERES COMME PERTINENTS		
Catégorie	Identification des documents cités, avec, le cas échéant, l'indication des passages pertinents	no. des revendications visées
X	WO 94 28912 A (THE REGENTS OF THE UNIVERSITY OF MICHIGAN) 22 décembre 1994 (1994-12-22) revendications 1-33 -----	1-12
X	GILLILAND L. K. ET AL.: "Rapid and reliable cloning of antibody variable regions and generation of recombinant single chain antibody fragments." TISSUE ANTIGENS, (1996) 47 (1) 1-20., XP000574883 page 11; tableau 4 -----	1-8
A	EP 0 440 373 A (SQUIBB BRISTOL MYERS CO) 7 août 1991 (1991-08-07) page 2, ligne 39 - ligne 50 page 3, ligne 43 - ligne 50 revendications 1-69 -----	1-12
T	HASPOU FABRIENNE ET AL: "Differential effect of CD28 versus B7 blockade on direct pathway of allorecognition and self-restricted responses." BLOOD. UNITED STATES 15 MAR 2002, vol. 99, no. 6, 15 mars 2002 (2002-03-15), pages 2228-2234, XP002201786 ISSN: 0006-4971 le document en entier -----	1-12

RAPPORT DE RECHERCHE INTERNATIONALE

ide Internationale No

1.1/FR 01/04203

Document brevet cité au rapport de recherche		Date de publication	Membre(s) de la famille de brevet(s)	Date de publication
WO 9428912	A	22-12-1994	AU 7107794 A	03-01-1995
			WO 9428912 A1	22-12-1994
EP 0440373	A	07-08-1991	AT 152170 T	15-05-1997
			CA 2034769 A1	26-07-1991
			DE 69125735 D1	28-05-1997
			DE 69125735 T2	04-09-1997
			DK 440373 T3	30-06-1997
			EP 0440373 A1	07-08-1991
			ES 2101715 T3	16-07-1997
			GR 3023723 T3	30-09-1997
			HU 56723 A2	28-10-1991
			IL 97023 A	18-03-1997
			ZA 9100463 A	30-09-1992